



NOD2 (NM_022162.3) - cDNA - 2024-05-19

ACTTACTTGT GGCCTGTCCC CTCGTGAATG TGTCTCATGT CCCCAGTGGG -247
GTTTTTCAGT GAGGGTCATG GTCTCCAGGA TGCACAAGGC TTTGTGCCAG -197
AATTGCTTGG AATTGCCTAG TTCTGGAAGG CTGGTTGGCC AACTCTGGCC -147
TCCGGCTTTT CCTTTGGGAA TTTCCCTTGA AGGTGGGGTT GGTAGACAGA -97
TCCAGGCTCA CCAGTCCTGT GCCACTGGGC TTTTGGCGTT CTGCACAAGG -47 [c.-53C>T](#)
CCTACCCGCA GATGCCATGC CTGCTCCCCC AGCCTAATGG GCTTTGATGG 4
GGGAAGAGGG TGGTTCAGCC TCTCACGATG AGGAGGAAAG AGCAAGTGTC 54
CTCCTCGGAC ATTCTCCGGG TTGTGAAATG TGCTCGCAGG AGGCTTTTCA 104
GGCACAGAGG AGCCAGCTGG TCGAGCTGCT GGTCTCAGGG TCCCTGGAAG 154 [R38M](#) [E43Y](#)
GCTTCGAGAG TGTCTGGAC TGGCTGCTGT CCTGGGAGGT CCTCTCCTGG 204
GAGGACTACG AGGGCTTCCA CCTCCTGGGC CAGCCTCTCT CCCACTTGGC 254 [L81V](#)
CAGGCGCCTT CTGGACACCG TCTGGAATAA GGGTACTTGG GCCTGTCAGA 304 [T91A](#)
AGCTCATCGC GGCTGCCCAA GAAGCCCAGG CCGACAGCCA GTCCCCCAAG 354 [A105A](#) [D113N](#)
CTGCATGGCT GCTGGGACCC CCACTCGCTC CACCCAGCCC GAGACCTGCA 404 [L119L](#)
GAGTCACCGG CCAGCCATTG TCAGGAGGCT CCACAGCCAT GTGGAGAACA 454 [R138Q](#) [A140T](#)
TGCTGGACCT GGCATGGGAG CGGGGTTTCG TCAGCCAGTA TGAATGTGAT 504 [D154N](#) [L155Q](#) [W157R](#)
GAAATCAGGT TGCCGATCTT CACACCGTCC CAGAGGGCAA GAAGGCTGCT 554 [S178S](#)
TGATCTTGCC ACGGTGAAAG CGAATGGATT GGCTGCCTTC CTTCTACAAC 604 [T189M](#) [T189I](#) [F198L](#)
ATGTTCCAGGA ATTACCAGTC CCATTGGCCC TGCCTTTGGA AGCTGCCACA 654 [P207A](#) [A211A](#)
TGCAAGAAGT ATATGGCCAA GCTGAGGACC ACGGTGTCTG CTCAGTCTCG 704 [K225M](#) [Q233X](#) [R235C](#)
CTTCCTCAGT ACCTATGATG GAGCAGAGAC GCTCTGCCTG GAGGACATAT 754 [T245M](#) [L248R](#)
ACACAGAGAA TGTCTGGAG GTCTGGGCAG ATGTGGGCAT GGCTGGACCC 804 [P268S/SNP5](#)

CCGCAGAAGA GCCCAGCCAC CCTGGGCCTG GAGGAGCTCT TCAGCACCCC 854
 TGGCCACCTC AATGACGATG CGGACACTGT GCTGGTGGTG GGTGAGGCGG 904 [H287Y](#) [N289S](#) [D291N](#) [A292V](#) [T294S](#) [V298V](#) [A301V](#)
 GCAGTGGCAA GAGCACGCTC CTGCAGCGGC TGCATTGCT GTGGGCTGCA 954 [R311W](#)
 GGGCAAGACT TCCAGGAATT TCTCTTTGTC TTCCATTCA GCTGCCGGCA 1004 [R334W](#) [R334Q](#)
 GCTGCAGTGC ATGGCCAAAC CACTCTCTGT GCGGACTCTA CTCTTTGAGC 1054 [L348V](#) [L349F](#)
ACTGCTGTTG GCCTGATGTT GGTCAAGAAG ACATCTTTCCA GTTACTCCTT 1104 [H352R](#) [W355X](#) [D357A](#) [I363F](#)
 GACCACCCTG ACCGTGTCCT GTTAACCTTT GATGGCTTTG ACGAGTTCAA 1154 [H343Y](#) [R373C](#) [D382N](#) [D382E](#) [E383K](#) [E383G](#)
 GTTCAGGTTT ACGGATCGTG AACGCCACTG CTCCCCGACC GACCCACCT 1204 [D390V](#) [R391C](#) [R393H](#) [P397L](#)
 CTGTCCAGAC CCTGCTCTT AACCTTCTGC AGGGCAACCT GCTGAAGAAT 1254 [N414S](#)
 GCCCGCAAGG TGGTGACCAG CCGTCGGCC GCTGTGTCGG CGTTCCCTCAG 1304 [R426H](#) [P427S](#) [P427P](#) [S431L](#) [A432V](#)
 GAAGTACATC CGCACCGAGT TCAACCTCAA GGGCTTCTCT GAACAGGGCA 1354 [E441K](#)
 TCGAGCTGTA CCTGAGGAAG CGCCATCATG AGCCCGGGGT GGC GGACCGC 1404 [L456L](#) [R459R/SNP6](#) [P463A](#) [G464W](#) [R468C](#)
CTCATCCGCC TGCTCCAAGA GACCTCAGCC CTGCACGGTT TGIGCCACCT 1454 [L469F](#) [R471C](#) [T476P](#) [H480R](#) [G481D](#) [c.1447T>C](#) [C483W](#)
 GCCTGTCTTC TCATGGATGG TGTCCAAATG CCACCAGGAA CTGTTGCTIGC 1504 [W490L](#) [W490S](#) [C495Y](#) [H496L](#) [E498](#) [L500delinsV](#) [E498D](#) [L501P](#)
 AGGAGGGGGG GTCCCCAAAG ACCACTACAG ATAIGTACCT GCTGATTCTG 1554 [E503E](#) [S506Pfs*11](#) [P507S](#) [T510I](#) [D512H](#) [D512Y](#) [D512V](#) [M513T](#) [M513R](#)
 CAGCATTTTC TGCTGCATGC CACCCCCCA GACTCAGCTT CCCAAGGTCT 1604 [H520Y](#) [P527P](#)
 GGGACCCAGT CTTCTICGGG GCCGCCTCCC CACCCTCCTG CACCTGGGCA 1654 [R541fs](#) [R541W](#) [L550V](#)
 GACTGGCTCT GTGGGGCCTG GGCATGTGCT GCIACGTGTT CTCAGCCCAG 1704 [S58DELLG](#) [Y563H](#)
 CAGCTCCAGG CAGCACAGGT CAGCCCTGAT GACATTTCTC TTGGCTTCCT 1754
 GGTGCGIGCC AAAGGTGTG TGCCAGGGAG TACGGC GCCC CTGGAATTCC 1804 [R587C](#) [R587R/SNP7](#) [T596T](#) [E600K](#) [E600A](#)
 TTCAATCAC TTTCCAGTGC TTCTTTGCCG CGTTCTACCT GGCACCTAGT 1854 [H603R](#) [T605P](#) [T605N](#) [A611A](#) [A612T](#) [A612V](#)
 GCTGATGTGC CACCAGCTTT GCTCAGACAC CTCTTCAATT GTGGCAGGCC 1904
 AGGCAACTCA CCAATGGCCA GGCTCCTGCC CACGATGTGC ATCCAGGCCT 1954
 CGGAGGGAAA GGACAGCAGC GTGGCAGCTT TGCTGCAGAA GGCCGAGCCG 2004 [E667K](#) [P668L](#)
 CACAACCTTC AGATCACAGC AGCCTTCCTG GCAGGGCTGT TGTCCCGGGA 2054 [N670K](#) [F677L](#) [L682F](#) [R684W](#) [R684Q](#)
 GCACTGGGGC CTGCTGGCTG AGTGCCAGAC ATCTGAGAAG GCCCTGCTCC 2104 [R702W/SNP8](#)
 GGCGCCAGGC CTGTGCCCCG TGGTGTCTGG CCCGCGAGCCT CCGCAAGCAC 2154 [R703C](#) [R713C](#) [R713H](#) [R716C](#)
 TTCACTCCA TCCCGCCAGC TGCACCGGGT GAGGCCAAGA GCGTGCATGC 2204 [A725G](#) [P727L](#) [V733L](#)

CATGCCCGGG TTCATCTGGC TCATCCGGAG CCTGTACGAG ATGCAGGAGG 2254 [I740I](#)
 AGCGGCTGGC TCGGAAGGCT GCACTGTGGCC TGAATGTTGG GCACCTCAAG 2304 [A755V](#) [A758V](#) [R760C](#)
 TTGACATTTT GCAGTGTGGG CCCCAGTGGAG TGTGCTGCCC TGGCCTTTGT 2354 [E778K](#)
 GCTGCAGCAC CTCGGCGGC CCCTGGCCCT GCAGCTGGAC TACAACTCTG 2404 [R790W](#) [R791W](#) [R791Q](#) [V793M](#)
 TGGGTGACAT TGGCGTGGAG CAGCTGCTGC CTTGCCTTGG TGTCTGCAAG 2454 [V802V](#) [Q809K](#) [V816I](#)
 GCTCTGTATT TGCGCATAA CAATATCTCA GACCGAGGCA TCTGCAAGCT 2504 [D824N](#) [N825K](#)
 CATTGAATGT GCTCTTCACT GCGAGCAATT GCAGAAGTTA GCTCTATTCA 2554 [I836T](#) [C842Y](#) [E843K](#) [A849V](#)
 ACAACAAATT GACTGACGGC TGTGCACACT CCATGGCTAA GCTCCTTGCA 2604 [N852S](#) [N853S](#) [M863V](#) [A864T](#)
 TGCAGGCAGA ACTTCTTGGC ATTGAGGCTG GGAATAACT ACATCACTGC 2654 [F873E](#) [A885T](#) [A885P](#)
 CGCGGGAGCC CAAGTGCTGG CCGAGGGGCT CGAGGGCAAC ACCTCCTTG 2704 [A886T](#) [R896X](#) [Q902K](#)
 AGTTCTTGGG ATTCIGGGC AACAGAGTGG GTGACGAGGG GGCCAGGC 2754 [W907R](#) [G908R/SNP12](#) [G908C](#) [D913D](#) [E914K](#) [A918D](#)
 CTGGCTGAAG CCTTGGTGA TCACCAGAGC TTGAGGTGGC TCAGCCTGT 2804 [G924D](#) [V935M](#)
 GGGGAACAAC ATTGGCAGTG TGGGTGCCCC AGCCTTGCCA CTGATGCTGG 2854 [I939V](#) [I939I](#)
 CAAAGAACGT CATGCTAGAA GAACTCTGCC TGGAGGAGAA CCATCTCCAG 2904 [V955I](#)
 GATGAAGGTG TATGTTCTCT CGCAGAAGGA CTGAAGAAAA ATTCAAGTTT 2954 [E970G](#) [V972I](#) [L975V](#) [L975L](#) [G978E](#)
 GAAATCCTG AAGTTGTCCA ATAAGTGCAT CACCTACCTA GGGGAGAGA 3004 [c.2998G>A](#)
 CCCTCCTGCA GGCCCTTGAA AGGAATGACA CCATCCTGGA AGTCTGGCTC 3054 [1007FS/SNP13](#)
 CGAGGGAACA CTTTCTCTCT AGAGGAGGTT GACAAGCTCG GCTGCAGGGA 3104 [R1019X](#) [R1019G](#) [R1019L](#)
 CACCAGACTC TTGCTTTGAA GTCTCCGGA GGATGTTCTG CTCAGTTTGT *31 [c.*9G>A](#)
 TTGTGAGCAG GCTGTGAGTT TGGGCCCCAG AGGCTGGGTG ACATGTGTTG *81
 GCAGCCTCTT CAAAATGAGC CCTGTCCTGC CTAAGGCTGA ACTTGTTC *131
 TGGGAACACC ATAGGTCACC TTTATTCTGG CAGAGGAGGG AGCATCAGTG *181
 CCCTCCAGGA TAGACTTTTC CCAAGCTAC TTTTGCCATT GACTTCTTC *231
 CAAGATTCAA TCCCAGGATG TACAAGGACA GCCCCTCCTC CATAGTATGG *281
 GACTGGCCTC TGCTGATCCT CCCAGGCTTC CGTGTGGGTC AGTGGGGCCC *331
 ATGGATGTGC TTGTTAACTG AGTGCCTTTT GGTGGAGAGG CCCGCTCT *381 [c.3498G>A](#)
 CACAAAAGAC CCCTTACCAC TGCTCTGATG AAGAGGAGTA CACAGAACAC *431
 ATAATTCAGG AAGCAGCTTT CCCCATGTCT CGACTCATCC ATCCAGGCCA *481

TTCCCCGTCT CTGGTTCCTC CCCTCCTCCT GGA~~C~~TCCTGC ACACGCTCCT *531
 TCCTCTGAGG CTGAAATTCA GAATATTAGT GACCTCAGCT TTGATATTTC *581
 ACTTACAGCA CCCCCAACCC TGGCACCCAG GGTGGGAAGG GCTACACCTT *631
 AGCCTGCCCT CCTTTCCGGT GTTTAAGACA TTTTGGGAAG GGGACACGTG *681
 ACAGCCGTTT GTTCCCCAAG ACATTCTAGG TTTGCAAGAA AAATATGACC *731
 ACACTCCAGC TGGGATCACA TGTGGACTTT TATTTCCAGT GAAATCAGTT *781
 ACTCTTCAGT TAAGCCTTTG GAAACAGCTC GACTTTAAAA AGCTCCAAAT *831
 GCAGCTTTAA AAAATTAATC TGGGCCAGAA TTTCAAACGG C~~C~~TC~~A~~CTAGG *881 *873C>T
 CTTCTGGTTG ATGCCTGTGA ACTGA~~A~~CTCT GACAACAGAC TTCTGAAATA *931
 GACCCACAAG AGGCAGTTCC ATTTCA~~T~~TTG TGCCAGAATG CTTTAGGATG *981
IACAGTTATG GATTGAAAGT TTACAGGAAA AAAAATTAGG CCGTTCCT~~I~~C *1031 c.3505C>T *1030T>C
 AAAGCAAATG TCTTCCTGGA TTATTCAAAA TGATGTATGT TGAAGCCTTT *1081
 GTAAATTGTC AGATGCTGTG CAAATGTTAT TATTTTAAAC ATTATGATGT *1131
 GTGAAAAC~~T~~G GTTAATATTT ATAGGTC~~A~~CT TTGTTTTACT GTCTTAAGTT *1181
 TATACTCTTA TAGACAAC~~A~~T GGCCGTGAAC TTTATGCTGT AAATAATCAG *1231 c.4323A>G
 AGGGGAATAA ACTGTTGAGT CAAAA

NOD2 (NM_022162.3) - cDNA - 2024-05-19

