

# Infevers - TNFRSF1A (NM\_001065.4) - cDNA - 2023-02-09

ACTCTTCCCC TCCCACCTTC TCTCCCCTCC TCTCTGCTTT AATTTTCTCA -213  
 GAATTCTCTG GACTGAGGCT CCAGTTCTGG CCTTTGGGGT TCAAGATCAC -163  
 TGGGACCAGG CCGTGATCTC TATGCCCGAG TCTCAACCCT CAACTGTCAC -113  
 CCCAAGGCAC TTGGGACGTC CTGGACAGAC CGAGTCCCGG GAAGCCCCAG -63  
 CACTGCCGCT GCCACACTGC CCTGAGCCCA AATGGGGGAG TGAGAGGCCA -13  
 TAGCTGTCTG GCATGGGCCT CTCCACCGTG CCTGACCTGC TGCTGCCACT 38 [c.15C>T](#) [c.36A>G](#)  
 GGTGCTCCTG GAGCTGTTGG TGGGAATATA CCCCTCAGGG GTTATTGGAC 88 [c.59T>C](#) [c.81T>C](#)  
 TGGTCCCTCA CCTAGGGGAC AGGGAGAAGA GAGATAGTGT GTGTCCCCAA 138 [D12E](#) [C15Y](#)  
 GGAAATATA TCACACCTCA AAATAATTGC ATTTGCTGTA CCAAGTGCCA 188 [K19I](#) [Y20H](#) [Y20D](#) [Y20C](#) [H22Y](#) [H22R](#) [H22Q](#) [N25D](#) [S27S](#) [I28S](#) [C29R](#) [C29G](#) [C29F](#) [C29Y](#) [C29S](#) [C29W](#) [C30R](#) [C30S](#)  
[C30Y](#) [C30F](#) [C33G](#) [C33Y](#)  
 CAAAGGAACC TACTTGTACA ATGACTGTCC AGGCCCGGGG CAGGATACGG 238 [G36E](#) [T37I](#) [Y38C](#) [Y38S](#) [L39F](#) [D42DEL](#) [D42E](#) [C43R](#) [C43G](#) [C43Y](#) [C43S](#) [C43F](#) [P46L](#) [G47G](#) [Q77H](#) [T50M](#) [T50K](#)  
 ACTGCAGGGA GTGTGAGAGC GGCTCCTTCA CCGCTTCAGA AAACCACCTC 288 [C52R](#) [C52G](#) [C52F](#) [C52Y](#) [C52S](#) [C52W](#) [R53G](#) [E54E](#) [C55R](#) [C55S](#) [C55Y](#) [S57](#) [E64del](#) [E56D](#) [G58S](#) [G87V](#) [S59P](#)  
[F60L\(264C>G\)](#) [F60V](#) [F60S](#) [F60L\(267A>G\)](#) [T61P](#) [T61I](#) [T61N](#) [N65I](#) [N65K](#) [H66Y](#) [H66L](#) [H66P](#) [L67P](#)  
 AGACACTGCC TCAGCTGCTC CAAATGCCGA AAGGAAATGG GTCAGGTGGA 338 [H69fs](#) [C70R](#) [C70S](#) [C70G](#) [C70Y](#) [C73R](#) [C73Y](#) [C73W](#) [S74C](#) [C105Y](#) [Q82K](#) [V83L](#) [V83M](#)  
 GATCTCTTCT TGCACAGTGG ACCGGGACAC CGTGTGTGGC TGCAGGAAGA 388 [S86P](#) [S116del](#) [C88R](#) [C88G](#) [C88Y](#) [C88S](#) [T89A](#) [R92W](#) [R92P](#) [R92Q](#) [R121](#) [D122insARHR](#) [D93H](#) [D93E](#) [T94T](#) [V95M](#)  
[C96R](#) [C96Y](#) [C96F](#) [C96W](#) [C98R](#) [C98Y](#) [C98F](#)  
 ACCAGTACCG GCATTATTGG AGTGA AAAACC TTTTCCAGTG CTTCAATTGC 438 [N101K](#) [Y103](#) [R104DEL](#) [R104W](#) [R104Q](#) [H105P](#) [Y106C](#) [E109A](#) [F112I](#) [F112L](#) [F112C](#) [F112S](#) [C114R](#) [C114W](#) [N116S](#)  
 AGCCTCTGCC TCAATGGGAC CGTGCACCTC TCCTGCCAGG AGAAACAGAA 488 [T124T](#) [V125M](#) [H126T](#) [K161R](#)  
 CACCGTGTGC ACCTGCCATG CAGGTTTCTT TCTAAGAGAA AACGAGTGTG 538 [V136M](#)  
 TCTCTGTAG TAACTGTAAG AAAAGCCTGG AGTGCACGAA GTTGTGCCTA 588 [K157K](#) [L167](#) [G175del](#)  
 CCCCAGATTG AGAATGTTAA GGGCACTGAG GACTCAGGCA CCACAGTGTCT 638 [I170N](#) [I170T](#) [V173D](#) [V202G](#) [G204C](#)  
 GTTGCCCCTG GTCATTTTCT TTGGTCTTTG CCTTTTATCC CTCCTCTTCA 688 [S197C](#) [S197S](#)  
 TTGGTTTAAAT GTATCGCTAC CAACGGTGGG AGTCCAAGCT CTACTCCATT 738  
 GTTTGTGGGA AATCGACACC TGAAAAAGAG GGGGAGCTTG AAGGAACCTAC 788  
 TACTAAGCCC CTGGCCCCAA ACCCAAGCTT CAGTCCCACT CCAGGCTTCA 838  
 CCCCCACCTT GGGCTTCAGT CCCGTGCCCA GTTCCACCTT CACCTCCAGC 888 [S290I](#) [F293](#) [T298del](#)  
 TCCACCTATA CCCCGGTGA CTGTCCCAAC TTTGCGGCTC CCCGCAGAGA 938 [P301H](#) [R283K](#)  
 GGTGGCACCA CCCTATCAGG GGGCTGACCC CATCCTTGCG ACAGCCCTCG 988 [A330T](#)  
 CCTCCGACCC CATCCCCAAC CCCCTTCAAG AGTGGGAGGA CAGCGCCAC 1038  
 AAGCCACAGA GCCTAGACAC TGATGACCCC GCGACGCTGT ACGCCGTGGT 1088 [S321I](#) [L330L](#) [Y331X](#)  
 GGAGAACGTG CCCCCGTTGC GCTGGAAGGA ATTCGTGCGG CGCCTAGGGC 1138 [R341R](#)  
 TGAGCGACCA CGAGATCGAT CGGCTGGAGC TGCAGAACGG GCGCTGCCTG 1188 [R394H](#)  
 CGCGAGGCGC AATACAGCAT GCTGGCGACC TGGAGGCGGC GCACGCCGCG 1238  
 GCGCGAGGCC ACGCTGGAGC TGCTGGGACG CGTGCTCCGC GACATGGACC 1288 [D427E](#)  
 TGCTGGGCTG CCTGGAGGAC ATCGAGGAGG CGCTTTGCGG CCCC GCCGCC 1338 [L441I](#)  
 CTCCCGCCCC CGCCAGTCT TCTCAGATGA GGCTGCGCCC CTGCGGGCAG \*20 [P448L](#)  
 CTCTAAGGAC CGTCCTGCGA GATCGCCTTC CAACCCCACT TTTTCTCTGGA \*70 [c.\\*64T>C](#)

AAGGAGGGGT CCTGCAGGGG CAAGCAGGAG CTAGCAGCCG CCTACTTGGT \*120  
GCTAACCCCT CGATGTACAT AGCTTTTCTC AGCTGCCTGC GCGCCGCCGA \*170  
CAGTCAGCGC TGTGCGCGCG GAGAGAGGTG CGCCGTGGGC TCAAGAGCCT \*220  
GAGTGGGTGG TTTGCGAGGA TGAGGGACGC TATGCCTCAT GCCCGTTTTG \*270  
GGTGTCCCTCA CCAGCAAGGC TGCTCGGGGG CCCCTGGTTC GTCCCTGAGC \*320  
CTTTTTCACA GTGCATAAGC AGTTTTTTTT GTTTTTGTTT TGTTTTGTTT \*370  
TGTTTTTAAA TCAATCATGT TACACTAATA GAAACTTGGC ACTCCTGTGC \*420  
CCTCTGCCTG GACAAGCACA TAGCAAGCTG AACTGTCCTA AGGCAGGGGC \*470  
GAGCACGGAA CAATGGGGCC TTCAGCTGGA GCTGTGGACT TTTGTACATA \*520  
CACTAAAATT CTGAAGTTAA A

**Infervers - TNFRSF1A (NM\_001065.4) - cDNA - 2023-02-09**