

Infevers - NOD2 (NM_022162.3) - cDNA + Protein - 2023-02-09

```

ACTTACTTGT GGCCTGTCCC CTCGTGAATG TGTCTCATGT CCCCAGTGGG -247
GTTTTTCAGT GAGGGTCATG GTCTCCAGGA TGCACAAGGC TTTGTGCCAG -197
AATTGCTTGG AATTGCCTAG TTCTGGAAGG CTGGTTGGCC AACTCTGGCC -147
TCCGGCTTTT CCTTTGGGAA TTTCCCTTGA AGGTGGGGTT GGTAGACAGA -97
TCCAGGCTCA CCAGTCCTGT GCCACTGGGC TTTTGGCGTT CTGCACAAGG -47 c.-53C>T
CCTACCCGCA GATGCCATGC CTGCTCCCC AGCCTAATGG GCTTTGATGG 4
                                     MetG 2

GGGAAGAGGG TGGTTCAGCC TCTCACGATG AGGAGGAAAG AGCAAGTGTC 54
lyGluGluG1 yGlySerAla SerHisAspG luGluGluAr gAlaSerVal 18

CTCCTCGGAC ATTCTCCGGG TTGTGAAATG TGCTCGCAGG AGGCTTTTCA 104
LeuLeuGlyH isSerProG1 yCysGluMet CysSerGlnG luAlaPheG1 35

GGCACAGAGG AGCCAGCTGG TCGAGCTGCT GGTCTCAGGG TCCCTGGAAG 154 R38M E43Y
nAlaGlnArg SerGlnLeuV alGluLeuLe uValSerGly SerLeuGluG 52

GCTTCGAGAG TGTCCTGGAC TGGCTGCTGT CCTGGGAGGT CCTCTCCTGG 204
lyPheGluSe rValLeuAsp TrpLeuLeuS erTrpGluVa lLeuSerTrp 68

GAGGACTACG AGGGCTTCCA CCTCTGGGC CAGCCTCTCT CCCACTTGGC 254 L81V
GluAspTyrG luGlyPheHi sLeuLeuGly GlnProLeuS erHisLeuAl 85

CAGGCGCCTT CTGGACACCG TCTGGAATAA GGGTACTTGG GCCTGTCAGA 304 T91A
aArgArgLeu LeuAspThrV alTrpAsnLy sGlyThrTrp AlaCysGlnL 102

AGTCATCGC GGCTGCCCAA GAAGCCCAGG CCGACAGCCA GTCCCCCAAG 354 A105A D113N
ysLeuIleAl aAlaAlaGln GluAlaGlnA laAspSerG1 nSerProLys 118

CTGCATGGCT GCTGGGACCC CCACTCGCTC CACCCAGCCC GAGACCTGCA 404 L119L
LeuHisGlyC ysTrpAspPr oHisSerLeu HisProAlaA rgAspLeuG1 135

GAGTCACCGG CCAGCCATTG TCAGGAGGCT CCACAGCCAT GTGGAGAACA 454 R138Q A140T
nSerHisArg ProAlaIleV alArgArgLe uHisSerHis ValGluAsnM 152

TGCTGGACCT GGCATGGGAG CGGGGTTTCG TCAGCCAGTA TGAATGTGAT 504 D154N L155Q W157R
etLeuAspLe uAlaTrpGlu ArgGlyPheV alSerGlnTy rGluCysAsp 168

```

GAAATCAGGT TGCCGATCTT CACACCGTCC CAGAGGGCAA GAAGGCTGCT 554 [S178S](#)
 GluIleArgL euProIlePh eThrProSer GlnArgAlaA rgArgLeuLe 185

TGATCTTGCC [ACGGTGAAAAG](#) CGAATGGATT GGCTGCCTTC CTTCTACAAC 604 [T189M](#) [T189T](#) [F198L](#)
 uAspLeuAla ThrValLysA laAsnGlyLe uAlaAlaPhe LeuLeuGlnH 202

ATGTTTCAGGA ATTACCAGTC CCATTGGCC C TGCCTTTGGGA AGCTGCCACA 654 [A211A](#)
 isValGlnGl uLeuProVal ProLeuAlaL euProLeuGl uAlaAlaThr 218

TGCAAGAAGT ATATGGCCA [A](#) GCTGAGGACC ACGGTGTCTG CTCAGTCTCG 704 [K225M](#) [Q233X](#) [R235C](#)
 CysLysLysT yrMetAlaLy sLeuArgThr ThrValSerA laGlnSerAr 235

CTTCTCAGT ACCTATGATG GAGCAGAGAC GCTCTGCC T GAGGACATAT 754 [T245M](#) [L248R](#)
 gPheLeuSer ThrTyrAspG lyAlaGluTh rLeuCysLeu GluAspIleT 252

ACACAGAGAA TGTCTGGAG GTCTGGGCAG ATGTGGGCAT GGCTGGACCC 804 [P268S/SNP5](#)
 yrThrGluAs nValLeuGlu ValTrpAlaA spValGlyMe tAlaGlyPro 268

CCGCAGAAGA GCCCAGCCAC CCTGGGCCTG GAGGAGCTCT TCAGCACCCC 854
 ProGlnLysS erProAlaTh rLeuGlyLeu GluGluLeuP heSerThrPr 285

TGGCCACCTC [AATGACGATG](#) [CGGACACTGT](#) GCTGGTGGTG GGTGAGGCGG 904 [H287Y](#) [N289S](#) [D291N](#) [A292V](#) [T294S](#) [V298V](#) [A301V](#)
 oGlyHisLeu AsnAspAspA laAspThrVa lLeuValVal GlyGluAlaG 302

GCAGTGGCAA GAGCACGCTC CTGCAGCGGC TGCACCTGCT GTGGGCTGCA 954 [R311W](#)
 lySerGlyLy sSerThrLeu LeuGlnArgL euHisLeuLe uTrpAlaAla 318

GGGCAAGACT TCCAGGAATT TCTCTTTGTC TTCCATTCA GCTGC CGGCA 1004 [R334W](#) [R334Q](#)
 GlyGlnAspP heGlnGluPh eLeuPheVal PhePropheS erCysArgGl 335

GCTGCAGTGC ATGGCCAAAC CACTCTCTGT GCGGACTCTA CTCTTTGAGC 1054 [L348V](#) [L349F](#)
 nLeuGlnCys MetAlaLysP roLeuSerVa lArgThrLeu LeuPheGluH 352

[ACTGCTGTTG](#) [GCCTGATGTT](#) GGTCAAGAAG ACATCTTCCA GTTACTCCTT 1104 [H352R](#) [W355X](#) [D357A](#) [I363F](#)
 isCysCysTr pProAspVal GlyGlnGluA spIlePheGl nLeuLeuLeu 368

GACCACCCTG [ACCGTGTCTT](#) GTTAACCTTT GATGGCTTTG [ACGAGTTCAA](#) 1154 [H343Y](#) [R373C](#) [D382N](#) [D382E](#) [E383K](#) [E383G](#)
 AspHisProA spArgValLe uLeuThrPhe AspGlyPheA spGluPheLy 385

GTTCAGGTTC ACGGATCGTG AACGCCACTG CTCCCGACC GACCCACCT 1204 D390V R391C R393H P397L
 sPheArgPhe ThrAspArgG luArgHisCy sSerProThr AspProThrS 402

CTGTCCAGAC CCTGCTCTTC AACCTTCTGC AGGGCAACCT GCTGAAGAAT 1254 N414S
 erValGlnTh rLeuLeuPhe AsnLeuLeuG lnGlyAsnLe uLeuLysAsn 418

GCCCGCAAGG TGGTGACCAG CCGTCCGGCC GCTGTGTCGG CGTTCCTCAG 1304 R426H P427S P427P S431L A432V
 AlaArgLysV alValThrSe rArgProAla AlaValSerA laPheLeuAr 435

GAAGTACATC CGCACGAGT TCAACCTCAA GGGCTTCTCT GAACAGGGCA 1354 E441K
 gLysTyrIle ArgThrGluP heAsnLeuLy sGlyPheSer GluGlnGlyI 452

TCGAGCTGTA CCTGAGGAAG CGCCATCATG AGCCCGGGGT GCGGGACCGC 1404 L456L R459R/SNP6 P463A G464W R468C
 leGluLeuTy rLeuArgLys ArgHisHisG luProGlyVa lAlaAspArg 468

CTCATCCGCC TGCTCCAAGA GACCTCAGCC CTGCACGGTT TGTGCCACCT 1454 L469F R471C T476P H480R G481D c.1447T>C
 LeuIleArgL euLeuGlnGl uThrSerAla LeuHisGlyL euCysHisLe 485

GCCTGTCTTC TCATGATGG TGTCCAAATG CCACCAGGAA CTGTTGCTTGC 1504 W490L W490S C495Y H496L E498 L500delinsV E498D L501P
 uProValPhe SerTrpMetV alSerLysCy sHisGlnGlu LeuLeuLeuG 502

AGGAGGGGGG GTCCCAAAG ACCATACAG ATATGTACCT GCTGATTCTG 1554 E503E S506Pfs*11 P507S T510I D512H D512Y D512V M513T M513R
 lnGluGlyGl ySerProLys ThrThrThrA spMetTyrLe uLeuIleLeu 518

CAGCATTTTC TGCTGCATGC CACCCCCA GACTCAGCTT CCCAAGGTCT 1604 H520Y P527P
 GlnHisPheL euLeuHisAl aThrProPro AspSerAlaS erGlnGlyLe 535

GGGACCCAGT CTTCTTCGGG GCCGCCTCCC CACCCTCTCG CACCTGGGCA 1654 R541fs R541W L550V
 uGlyProSer LeuLeuArgG lyArgLeuPr oThrLeuLeu HisLeuGlyA 552

GACTGGCTCT GTGGGGCCTG GGCATGTGCT GCTTACGTGTT CTCAGCCAG 1704 558DELLG Y563H
 rgLeuAlaLe uTrpGlyLeu GlyMetCysC ysTyrValPh eSerAlaGln 568

CAGCTCCAGG CAGCACAGGT CAGCCCTGAT GACATTTCTC TTGGCTTCCT 1754
 GlnLeuGlnA laAlaGlnVa lSerProAsp AspIleSerL euGlyPheLe 585

GGTGCGTGCC AAAGGTGTCTG TGCCAGGGAG TACGCGCCC CTGGAATTCC 1804 R587C R587R/SNP7 T596T E600K E600A
 uValArgAla LysGlyValV alProGlySe rThrAlaPro LeuGluPheL 602

[TTCACATCAC](#) [TTTCCAGTGC](#) [TTCTTTGCCG](#) [CGTTCTACCT](#) [GGCACTCAGT](#) 1854 [H603R](#) [T605P](#) [T605N](#) [A611A](#) [A612T](#) [A612V](#)
 euHisIleTh rPheGlnCys PhePheAlaA laPheTyrLe uAlaLeuSer 618

[GCTGATGTGC](#) [CACCAGCTTT](#) [GCTCAGACAC](#) [CTCTTCAATT](#) [GTGGCAGGCC](#) 1904
 AlaAspValP roProAlaLe uLeuArgHis LeuPheAsnC ysGlyArgPr 635

[AGGCAACTCA](#) [CCAATGGCCA](#) [GGCTCCTGCC](#) [CACGATGTGC](#) [ATCCAGGCCT](#) 1954
 oGlyAsnSer ProMetAlaA rgLeuLeuPr oThrMetCys IleGlnAlaS 652

[CGGAGGGAAA](#) [GGACAGCAGC](#) [GTGGCAGCTT](#) [TGCTGCAGAA](#) [GGCCGAGCCG](#) 2004 [E667K](#) [P668L](#)
 erGluGlyLy sAspSerSer ValAlaAlaL euLeuGlnLy sAlaGluPro 668

[CACAACTTC](#) [AGATCACAGC](#) [AGCCTTCTG](#) [GCAGGGCTGT](#) [TGTCCCGGA](#) 2054 [N670K](#) [F677L](#) [L682F](#) [R684W](#) [R684Q](#)
 HisAsnLeuG lnIleThrAl aAlaPheLeu AlaGlyLeuL euSerArgGl 685

[GCACTGGGGC](#) [CTGCTGGCTG](#) [AGTGCCAGAC](#) [ATCTGAGAAG](#) [GCCCTGCTCC](#) 2104 [R702W/SNP8](#)
 uHisTrpGly LeuLeuAlaG luCysGlnTh rSerGluLys AlaLeuLeuA 702

[GGCGCCAGGC](#) [CTGTGCCCCG](#) [TGGTGTCTGG](#) [CCCGCAGCCT](#) [CGCAAGCAC](#) 2154 [R703C](#) [R713C](#) [R713H](#) [R716C](#)
 rgArgGlnAl aCysAlaArg TrpCysLeuA laArgSerLe uArgLysHis 718

[TTCCACTCCA](#) [TCCC GCCAGC](#) [TGCACCGGGT](#) [GAGGCCAAGA](#) [GCGTGCATGC](#) 2204 [A725G](#) [P727L](#) [V733L](#)
 PheHisSerI leProProAl aAlaProGly GluAlaLysS erValHisAl 735

[CATGCCCGGG](#) [TTCATCTGGC](#) [TCATCCGGAG](#) [CCTGTACGAG](#) [ATGCAGGAGG](#) 2254 [I740I](#)
 aMetProGly PheIleTrpL euIleArgSe rLeuTyrGlu MetGlnGluG 752

[AGCGGCTGGC](#) [TCGGAAGGCT](#) [GCACTGGGCC](#) [TGAATGTTGG](#) [GCACCTCAAG](#) 2304 [A755V](#) [A758V](#) [R760C](#)
 luArgLeuAl aArgLysAla AlaArgGlyL euAsnValGl yHisLeuLys 768

[TTGACATTTT](#) [GCAGTGTGGG](#) [CCCCACTGAG](#) [TGTGCTGCCC](#) [TGGCCTTTGT](#) 2354 [E778K](#)
 LeuThrPheC ysSerValGl yProThrGlu CysAlaAlaL euAlaPheVa 785

[GCTGCAGCAC](#) [CTCCGGCGGC](#) [CCGTGGCCCT](#) [GCAGCTGGAC](#) [TACAACTCTG](#) 2404 [R790W](#) [R791W](#) [R791Q](#) [V793M](#)
 lLeuGlnHis LeuArgArgP roValAlaLe uGlnLeuAsp TyrAsnSerV 802

[TGGGTGACAT](#) [TGGCGTGGAG](#) [CAGCTGCTGC](#) [CTTGCCCTTGG](#) [TGTCTGCAAG](#) 2454 [V802V](#) [Q809K](#) [V816I](#)
 alGlyAspIl eGlyValGlu GlnLeuLeuP roCysLeuGl yValCysLys 818

[GCTCTGTATT](#) [TGCGCGATAA](#) [CAATATCTCA](#) [GACCGAGGCA](#) [TCTGCAAGCT](#) 2504 [D824N](#) [N825K](#)
 AlaLeuTyrL euArgAspAs nAsnIleSer AspArgGlyI leCysLysLe 835

[CATTGAATGT](#) [GCTCTTCACT](#) [GCGAGCAATT](#) [GCAGAAGTTA](#) [GCTCTATTCA](#) 2554 [I836T](#) [C842Y](#) [E843K](#) [A849V](#)
 uIleGluCys AlaLeuHisC ysGluGlnLe uGlnLysLeu AlaLeuPheA 852

[ACAACAAATT](#) [GACTGACGGC](#) [TGTGCACACT](#) [CCATGGCTAA](#) [GCTCCTTGCA](#) 2604 [N852S](#) [N853S](#) [M863V](#) [A864T](#)
 snAsnLysLe uThrAspGly CysAlaHisS erMetAlaLy sLeuLeuAla 868

[TGCAGGCAGA](#) [ACTTCTTGGC](#) [ATTGAGGCTG](#) [GGGAATAACT](#) [ACATCACTGC](#) 2654 [F873F](#) [A885T](#) [A885P](#)
 CysArgGlnA snPheLeuAl aLeuArgLeu GlyAsnAsnT yrIleThrAl 885

[CGCGGGAGCC](#) [CAAGTGCTGG](#) [CCGAGGGGCT](#) [CCGAGGCAAC](#) [ACCTCCTTGC](#) 2704 [A886T](#) [R896X](#) [Q902K](#)
 aAlaGlyAla GlnValLeuA laGluGlyLe uArgGlyAsn ThrSerLeuG 902

[AGTTCCTGGG](#) [ATTCTGGGCG](#) [AACAGAGTGG](#) [GTGACGAGGG](#) [GGCCCAGGCC](#) 2754 [W907R](#) [G908R/SNP12](#) [G908C](#) [D913D](#) [E914K](#) [A918D](#)
 lnPheLeuGl yPheTrpGly AsnArgValG lyAspGluGl yAlaGlnAla 918

[CTGGCTGAAG](#) [CCTTGGGTGA](#) [TCACCAGAGC](#) [TTGAGGTGGC](#) [TCAGCCTGGT](#) 2804 [G924D](#) [V935M](#)
 LeuAlaGluA laLeuGlyAs pHisGlnSer LeuArgTrpL euSerLeuVa 935

[GGGGAACAAC](#) [ATTGGCAGTG](#) [TGGGTGCCCA](#) [AGCCTTGGCA](#) [CTGATGCTGG](#) 2854 [I939V](#) [I939I](#)
 lGlyAsnAsn ileGlySerV alGlyAlaGl nAlaLeuAla LeuMetLeuA 952

[CAAAGAACGT](#) [CATGCTAGAA](#) [GAACTCTGCC](#) [TGGAGGAGAA](#) [CCATCTCCAG](#) 2904 [V955I](#)
 laLysAsnVa lMetLeuGlu GluLeuCysL euGluGluAs nHisLeuGln 968

[GATGAAGGTG](#) [TATGTTCTCT](#) [CGCAGAAGGA](#) [CTGAAGAAAA](#) [ATTCAAGTTT](#) 2954 [E970G](#) [V972I](#) [L975V](#) [L975L](#) [G978E](#)
 AspGluGlyV alCysSerLe uAlaGluGly LeuLysLysA snSerSerLe 985

[GAAAATCCTG](#) [AAGTTGTCCA](#) [ATAACTGCAT](#) [CACCTACCTA](#) [GGGCGAGAAG](#) 3004 [c.2998G>A](#)
 uLysIleLeu LysLeuSerA snAsnCysIl eThrTyrLeu GlyAlaGluA 1002

[CCCTCCTGCA](#) [GGCCCTTGAA](#) [AGGAATGACA](#) [CCATCCTGGA](#) [AGTCTGGCTC](#) 3054 [1007FS/SNP13](#)
 laLeuLeuGl nAlaLeuGlu ArgAsnAspT hrIleLeuGl uValTrpLeu 1018

[CGAGGGAACA](#) [CTTTCTCTCT](#) [AGAGGAGGTT](#) [GACAAGCTCG](#) [GCTGCAGGGA](#) 3104 [R1019X](#) [R1019G](#) [R1019L](#)
 ArgGlyAsnT hrPheSerLe uGluGluVal AspLysLeuG lyCysArgAs 1035

CACCAGACTC TTGCTTTGAA GTCTCCGGA GGATGTTCTG CTCAGTTTGT *31 [c.*9G>A](#)
 pThrArgLeu LeuLeuStop

TTGTGAGCAG GCTGTGAGTT TGGGCCCCAG AGGCTGGGTG ACATGTGTTG *81
 GCAGCCTCTT CAAAATGAGC CCTGTCTCTG CTAAGGCTGA ACTTGTTTTT *131
 TGGGAACACC ATAGGTCACC TTTATTCTGG CAGAGGAGGG AGCATCAGTG *181
 CCCTCCAGGA TAGACTTTTC CCAAGCCTAC TTTTGCCATT GACTTCTTCC *231
 CAAGATTCAA TCCCAGGATG TACAAGGACA GCCCCTCCTC CATAGTATGG *281
 GACTGGCCTC TGCTGATCCT CCCAGGCTTC CGTGTGGGTC AGTGGGGCCC *331
 ATGGATGTGC TTGTTAACTG AGTGCCTTTT GGTGGAGAGG CCCGCTCTCT *381 [c.3498G>A](#)
 CACAAAAGAC CCCTTACCAC TGCTCTGATG AAGAGGAGTA CACAGAACAC *431
 ATAATTCAGG AAGCAGCTTT CCCCATGTCT CGACTCATCC ATCCAGGCCA *481
 TTCCCCGTCT CTGGTTCCTC CCCTCCTCCT GGACTCCTGC ACACGCTCCT *531
 TCCTCTGAGG CTGAAATTCA GAATATTAGT GACCTCAGCT TTGATATTTT *581
 ACTTACAGCA CCCCCAACCC TGGCACCCAG GGTGGGAAGG GCTACACCTT *631
 AGCCTGCCCT CCTTTCCGGT GTTTAAGACA TTTTTGGAAG GGGACACGTG *681
 ACAGCCGTTT GTTCCCCAAG ACATTCTAGG TTTGCAAGAA AAATATGACC *731
 ACACTCCAGC TGGGATCACA TGTGGACTTT TATTTCCAGT GAAATCAGTT *781
 ACTCTTCAGT TAAGCCTTTG GAAACAGCTC GACTTTAAAA AGCTCCAAAT *831
 GCAGCTTTAA AAAATTAATC TGGGCCAGAA TTTCAAACGG CCTCACTAGG *881 [*873C>T](#)
 CTTCTGGTTG ATGCCTGTGA ACTGAACTCT GACAACAGAC TTCTGAAATA *931
 GACCCACAAG AGGCAGTTCC ATTTCATTTG TGCCAGAATG CTTTAGGATG *981
 TACAGTTATG GATTGAAAGT TTACAGGAAA AAAAATTAGG CCGTTCCTTC *1031 [c.3505C>T](#) [*1030T>C](#)
 AAAGCAAATG TCTTCCTGGA TTATTCAAAA TGATGTATGT TGAAGCCTTT *1081
 GTAAATTGTC AGATGCTGTG CAAATGTTAT TATTTTAAAC ATTATGATGT *1131
 GTGAAACTG GTTAATATTT ATAGGTCACT TTGTTTTACT GTCTTAAGTT *1181
 TATACTCTTA TAGACAACA GGCCGTGAAC TTTATGCTGT AAATAATCAG *1231 [c.4323A>G](#)
 AGGGGAATAA ACTGTTGAGT CAAAA

Infervers - NOD2 (NM_022162.3) - cDNA + Protein - 2023-02-09