

# Infevers - NCSTN (NM\_015331.3) - cDNA + Protein - 2023-02-09

AGCAGAGAGG	CAAGATGGCT	ACGGCAGGGG	GTGGCTCTGG	GGCTGACCCG	36	
	MetAla	ThrAlaGlyG	lyGlySerGl	yAlaAspPro	12	
GGAAGTCGGG	GTCTCCTTCG	CCTTCTGTCT	TTCTGCGTCC	TACTAGCAGG	86	
GlySerArgG	lyLeuLeuAr	gLeuLeuSer	PheCysValL	euLeuAlaGl	29	
TTTGTGCAGG	<u>G</u> GAAACTCAG	TGGAGAGGAA	GATATATATC	CCCTTAAATA	136	<u>G33R</u>
yLeuCysArg	GlyAsnSerV	alGluArgLy	sIleTyrIle	ProLeuAsnL	46	
AAACAGCTCC	CTGTGTTTCG	CTGCTCAACG	CCACTCATCA	GATTGGCTGC	186	
ysThrAlaPr	oCysValArg	LeuLeuAsnA	laThrHisGl	nIleGlyCys	62	
CAGTCTTCAA	TTAGTGGAGA	CAC <u>A</u> GGGGTT	ATCCACG <u>T</u> AG	TAGAGAAAGA	236	<u>Thr70fsX18 V75I</u>
GlnSerSerI	leSerGlyAs	pThrGlyVal	IleHisValV	alGluLysGl	79	
GGAGGACCTA	CAGTGGGTAT	TGACTGATGG	CCCCAACCCC	<u>C</u> TTACATGG	286	<u>p.P73Lfs*15</u>
uGluAspLeu	GlnTrpValL	euThrAspGl	yProAsnPro	ProTyrMetV	96	
TTCTGCTGGA	GAGCAAGCAT	TTTACCAGGG	ATTTAATGGA	GAAGCTGAAA	336	
alLeuLeuGl	uSerLysHis	PheThrArgA	spLeuMetGl	uLysLeuLys	112	
GGGAGAA <u>C</u> CA	<u>G</u> CCGAATTGC	TGGTCTTGCA	GTGTCCTTGA	CCAAGCCCAG	386	<u>T115fs R117X</u>
GlyArgThrS	erArgIleAl	aGlyLeuAla	ValSerLeuT	hrLysProSe	129	
TCCTGCCTCA	GGCTTCTCTC	CTAGTGTACA	GTGCCCAAAT	GATGGGTTTG	436	
rProAlaSer	GlyPheSerP	roSerValGl	nCysProAsn	AspGlyPheG	146	
GTGTTTACTC	CAATTCCTAT	GGGCCAGAGT	TTGCTCACTG	CAGAGAA <u>A</u> TA	486	<u>I162Yfs*57</u>
lyValTyrSe	rAsnSerTyr	GlyProGluP	heAlaHisCy	sArgGluIle	162	
<u>C</u> AGTGGAATT	<u>C</u> GCTGGGCAA	TGGTTTGGCT	TATGAAGACT	TTAGTTTCCC	536	<u>p.Gln163SerfsX39 S166X</u>
GlnTrpAsnS	erLeuGlyAs	nGlyLeuAla	TyrGluAspP	heSerPhePr	179	
CATCT <u>T</u> TCTT	CTTGAAGATG	AAAATGAAAC	CAAAGTCATC	AAGCAGTGCT	586	<u>F181S D185N</u>
oIlePheLeu	LeuGluAspG	luAsnGluTh	rLysValIle	LysGlnCysT	196	
ATCAAGATCA	CAACCTGAGT	CAGAATGGCT	CAGCACCAAC	CTTCC <u>C</u> ACTA	636	<u>P211R</u>

yrGlnAspHi sAsnLeuSer GlnAsnGlyS erAlaProTh rPheProLeu 212  
 TGTGCCATGC AGCTCTTTTC ACACATGCAT GCTGTCATCA GCACTGCCAC 686 Q216P S219Ffs\*31 c.687insCC  
 CysAlaMetG lnLeuPheSe rHisMetHis AlaValIleS erThrAlaTh 229  
 CTGCATGCGG CGCAGCTCCA TCCAAAGCAC CTTCAGCATC AACCCAGAAA 736  
 rCysMetArg ArgSerSerI leGlnSerTh rPheSerIle AsnProGluI 246  
 TCGTCTGTGA CCCCCTGTCT GATTACAATG TGTGGAGCAT GCTAAAGCCT 786  
 leValCysAs pProLeuSer AspTyrAsnV alTrpSerMe tLeuLysPro 262  
 ATAAATACAA CTGGGACATT AAAGCCTGAC GACAGGGTTG TGGTTGCTGC 836  
 IleAsnThrT hrGlyThrLe uLysProAsp AspArgValV alValAlaAl 279  
 CACCCGGCTG GATAGTCGTT CCTTTTTCTG GAATGTGGCC CCAGGGGCTG 886  
 aThrArgLeu AspSerArgS erPhePheTr pAsnValAla ProGlyAlaG 296  
AAAGCGCAGT GGCTTCCTTT GTCACCCAGC TGGCTGCTGC TGAAGCTTTG 936 c.887A>G  
 luSerAlaVa lAlaSerPhe ValThrGlnL euAlaAlaAl aGluAlaLeu 312  
 CAAAAGGCAC CTGATGTGAC CACCCTGCCC CGCAATGTCA TGTTTGTCTT 986 A315V  
 GlnLysAlaP roAspValTh rThrLeuPro ArgAsnValM etPheValPh 329  
 CTTTCAAGGG GAAACTTTTG ACTACATTGG CAGCTCGAGG ATGGTCTACG 1036  
 ePheGlnGly GluThrPheA spTyrIleGl ySerSerArg MetValTyrA 346  
 ATATGGAGAA GGGCAAGTTT CCCGTGCAGT TAGAGAATGT TGACTCATT 1086  
 spMetGluLy sGlyLysPhe ProValGlnL euGluAsnVa lAspSerPhe 362  
 GTGGAGCTGG GACAGGTGGC CTTAAGAACT TCATTAGAGC TTTGGATGCA 1136 c.1125+1G>A  
 ValGluLeuG lyGlnValAl aLeuArgThr SerLeuGluL euTrpMetHi 379  
 CACAGATCCT GTTTCTCAGA AAAATGAGTC TGTACGGAAC CAGGTGGAGG 1186 D381Sfs\*7  
 sThrAspPro ValSerGlnL ysAsnGluSe rValArgAsn GlnValGluA 396  
 ATCTCCTGGC CACATTGGAG AAGAGTGGTG CTGGTGTCCC TGCTGTCATC 1236  
 spLeuLeuAl aThrLeuGlu LysSerGlyA laGlyValPr oAlaValIle 412  
 CTCAGGAGGC CAAATCAGTC CAGCCTCTC CCACCATCTT CCCTGCAGCG 1286 Q420X

LeuArgArgP roAsnGlnSe rGlnProLeu ProProSerS erLeuGlnAr 429  
  
[ATTTCTTCGA](#) [GCTCGAAACA](#) [TCTCTGGCGT](#) [TGTTCTGGCT](#) [GACCACTCTG](#) 1336 [p.Arg434X](#)  
 gPheLeuArg AlaArgAsnI leSerGlyVa lValLeuAla AspHisSerG 446  
  
[GTGCCTTCCA](#) [TAACAAATAT](#) [TACCAGAGTA](#) [TTTACGACAC](#) [TGCTGAGAAC](#) 1386  
 lyAlaPheHi sAsnLysTyr TyrGlnSerI leTyrAspTh rAlaGluAsn 462  
  
[ATTAATGTGA](#) [GCTATCCCGA](#) [ATGGCTGAGC](#) [CCTGAAGAGG](#) [ACCTGAACTT](#) 1436  
 ileAsnVals erTyrProGl uTrpLeuSer ProGluGluA spLeuAsnPh 479  
  
[TGTAACAGAC](#) [ACTGCCAAGG](#) [CCCTGGCAGA](#) [TGTGGCCACG](#) [GTGCTGGGAC](#) 1486  
 eValThrAsp ThrAlaLysA laLeuAlaAs pValAlaThr ValLeuGlyA 496  
  
[GTGCTCTGTA](#) [TGAGCTTGCA](#) [GGAGGAACCA](#) [ACTTCAGCGA](#) [CACAGTTCAG](#) 1536  
 rgAlaLeuTy rGluLeuAla GlyGlyThrA snPheSerAs pThrValGln 512  
  
[GCTGATCCCC](#) [AAACGGTTAC](#) [CCGCTGCTC](#) [TATGGGTTCC](#) [TGATTAAAGC](#) 1586  
 AlaAspProG lnThrValTh rArgLeuLeu TyrGlyPheL euIleLysAl 529  
  
[CAACAACCTCA](#) [TGGTTCCAGT](#) [CTATCCTCAG](#) [GCAGGACCTA](#) [AGGTCCTACT](#) 1636 [Y545X](#)  
 aAsnAsnSer TrpPheGlnS erIleLeuAr gGlnAspLeu ArgSerTyrL 546  
  
[TGGGTGACGG](#) [GCCTCTTCAA](#) [CATTACATCG](#) [CTGTCTCCAG](#) [CCCCACCAAC](#) 1686  
 euGlyAspGl yProLeuGln HisTyrIleA laValSerSe rProThrAsn 562  
  
[ACCACTTATG](#) [TTGTACAGTA](#) [TGCCTTGCA](#) [AATTTGACTG](#) [GCACAGTGGT](#) 1736 [Y565X](#) [Q568X](#)  
 ThrThrTyrV alValGlnTy rAlaLeuAla AsnLeuThrG lyThrValVa 579  
  
[CAACCTCACC](#) [CGAGAGCAGT](#) [GCCAGGATCC](#) [AAGTAAAGTC](#) [CCAAGTGAAA](#) 1786 [E584DfsX44](#) [c.1768A>G](#)  
 lAsnLeuThr ArgGluGlnC ysGlnAspPr oSerLysVal ProSerGluA 596  
  
[ACAAGGATCT](#) [GATIGAGTAC](#) [TCATGGGTCC](#) [AGGGCCCTTT](#) [GCATTCTAAT](#) 1836 [c.1799delTG](#)  
 snLysAspLe uTyrGluTyr SerTrpValG lnGlyProLe uHisSerAsn 612  
  
[GAGACGGACC](#) [GACTCCCCCG](#) [GTGTGTGCGT](#) [TCTACTGCAC](#) [GATTAGCCAG](#) 1886  
 GluThrAspA rgLeuProAr gCysValArg SerThrAlaA rgLeuAlaAr 629  
  
[GGCCTTGTCT](#) [CCTGCCTTTG](#) [AACTGAGTCA](#) [GTGGAGCTCT](#) [ACTGAATACT](#) 1936

gAlaLeuSer ProAlaPheG luLeuSerGl nTrpSerSer ThrGluTyrS 646  
  
CTACATGGAC TGAGAGCCGC TGGAAAGATA TCCGTGCCCC GATATTTCTC 1986  
erThrTrpTh rGluSerArg TrpLysAspI leArgAlaAr gIlePheLeu 662  
  
ATCGCCAGCA AAGAGCTTGA GTTGATCACC CTGACAGTGG GCTTCGGCAT 2036  
IleAlaSerL ysGluLeuGl uLeuIleThr LeuThrValG lyPheGlyIl 679  
  
CCTCATCTTC TCCCTCATCG TCACCTACTG CATCAATGCC AAAGCTGATG 2086  
eLeuIlePhe SerLeuIleV alThrTyrCy sIleAsnAla LysAlaAspV 696  
  
TCCTTTTCAT TGCTCCCCGG GAGCCAGGAG CTGTGTCATA CTGAGGAGGA \*6  
alLeuPheIl eAlaProArg GluProGlyA laValSerTy rStop  
  
CCCCAGCTTT TCTTGCCAGC TCAGCAGTTC ACTTCCTAGA GCATCTGTCC \*56  
CACTGGGACA CAACCACTAA TTTGTCACTG GAACCTCCCT GGGCCTGTCT \*106  
CAGATTGGGA TTAACATAAA AGAGTGGAAC TATCCAAAAG AGACAGGGAG \*156  
AAATAAATAA ATTGCCTCCC TTCCTCCGCT CCCCTTTCCC ATCACCCCTT \*206  
CCCCATTTCC TCTTCCTTCT CTACTCATGC CAGATTTTGG GATTACAAAT \*256  
AGAAGCTTCT TGCTCCTGTT TAACTCCCTA GTTACCCACC CTAATTTGCC \*306  
CTTCAGGACC CTTCTACTTT TTCCTTCCTG CCCTGTACCT CTCTCTGCTC \*356  
CTCACCCCCA CCCCTGTACC CAGCCACCTT CCTGACTGGG AAGGACATAA \*406  
AAGGTTTAAT GTCAGGGTCA AACTACATTG AGCCCCTGAG GACAGGGGCA \*456  
TCTCTGGGCT GAGCCTACTG TCTCCTTCCC ACTGTCCTTT CTCCAGGCC \*506  
TCAGATGGCA CATTAGGGTG GCGTGCTGC GGGTGGGTAT CCCACCTCCA \*556  
GCCACAGTG CTCAGTTGTA CTTTTTATTA AGCTGTAATA TCTATTTTGT \*606  
TTTTTGTCTT TTTCTTTTAT TCTTTTTGTA AATATATATA TAATGAGTTT \*656  
CATTAAAATA GATTATCCCA CA

Infervers - NCSTN (NM\_015331.3) - cDNA + Protein - 2023-02-09