



NLRP7 (NM_001127255.2) - cDNA + Protein - 2026-07-11

CCCTTTTAT CCGTTTCCTT TGCAGGAAAC ACAGGCTGGA AGCAAGACCT -52
GACCTGAGGG AGTTCCTCAG CCTTAACCTA AGGTCTCATA CTCGGAGCAC -2
TATGACATCG CCCAGCTAG AGTGGACTCT GCAGACCCTT CTGGAGCAGC 49
MetThrSer ProGlnLeuG luTrpThrLe uGlnThrLeu LeuGluGlnL 17

TGAACGAGGA TGAATTAAAG AGTTTCAAAT CCCTTTTATG GGCTTTTCCC 99
euAsnGluAs pGluLeuLys SerPheLysS erLeuLeuTr pAlaPhePro 33

CTCGAAGACG TGCTACAGAA GACCCCATGG TCTGAGGTGG AAGAGGCTGA 149
LeuGluAspV aLeuGlnLy sThrProTrp SerGluValG luGluAlaAs 50

TGGCAAGAAA CTGGCAGAAA TTCTGGTCAA CACCCTCCTCA GAAAATTGGA 199 T61TfsX7 W66* W66C
pGlyLysLys LeuAlaGluI leLeuValAs nThrSerSer GluAsnTrpI 67

TAAGGAATGC GACTGTGAAC ATCTTGAAG AGATGAATCT CACGGAATTG 249 N73N
leArgAsnAl aThrValAsn IleLeuGluG luMetAsnLe uThrGluLeu 83

TGTAAGATGG CAAAGGCTGA GATGATGGAG GACGGACAGG TGCAAGAAAT 299 C84Y E99X
CysLysMetA laLysAlaGl uMetMetGlu AspGlyGlnV alGlnGluIl 100

AGATAATCCT GAGCTGGGAG ATGCAGAAGA AGACTCGGAG TTAGCAAAGC 349 E113GfsX7 K116X
eAspAsnPro GluLeuGlyA spAlaGluGl uAspSerGlu LeuAlaLysP 117

CAGGTGAAAA GGAAGGATGG AGAAATTCAA TGGAGAAACA GTCTTGGTC 399 [Q130Q](#) [L132Gfs*12](#)
roGlyGluLy sGluGlyTrp ArgAsnSerM etGluLysGl nSerLeuVal 133

TGGAAGAACA CCTTTTGGCA AGGAGACATT GACAATTTCC ATGACGACGT 449 [Q140*](#) [D149G](#)
TrpLysAsnT hrPheTrpGl nGlyAspIle AspAsnPheH isAspAspVa 150

CACTCTGAGA AACCAACGGT TCATTCCATT CTTGAATCCC AGAACACCCA 499 [R156Q](#)
lThrLeuArg AsnGlnArgP heIleProPh eLeuAsnPro ArgThrProA 167

GGAAGCTAAC ACCTTACACG GTGGTGCTGC ACGGCCCCGC AGGCGTGGGG 549 [V182M](#)
rgLysLeuTh rProTyrThr ValValLeuH isGlyProAl aGlyValGly 183

AAAACCACGC TGGCCAAAA GTGTATGCTG GACTGGACAG ACTGCAACCT 599 [T185del](#) [M192L](#) [W195X](#)
LysThrThrL euAlaLysLy sCysMetLeu AspTrpThrA spCysAsnLe 200

CAGCCCGACG CTCAGATACG CGTTCTACCT CAGCTGCAAG GAGCTCAGCC 649 [S201S](#) [L210F](#)
uSerProThr LeuArgTyrA laPheTyrLe uSerCysLys GluLeuSerA 217

GCATGGGCCC CTGCAGTTTT GCAGAGCTGA TCTCCAAAGA CTGGCCTGAA 699 [C221Lfs*13](#) [W231X](#)
rgMetGlyPr oCysSerPhe AlaGluLeuI leSerLysAs pTrpProGlu 233

TTGCAGGATG ACATTCCAAG CATCCTAGCC CAAGCACAGA GAATCCTGTT 749 [L234S](#) [A243V](#) [F250C](#)
LeuGlnAspA spIleProSe rIleLeuAla GlnAlaGlnA rgIleLeuPh 250

CGTGGTCGAT GGCCTTGATG AGCTGAAAGT CCCACCTGGG GCGCTGATCC 799 [F250L](#)
eValValAsp GlyLeuAspG luLeuLysVa lProProGly AlaLeuIleG 267

AGGACATCTG CGGGGACTGG GAGAAGAAGA AGCCGGTGCC CGTCCTCCTG 849 [K277Q](#) [V279L](#)
lnAspIleCy sGlyAspTrp GluLysLysL ysProValPr oValLeuLeu 283

GGGAGTTTGC TGAAGAGGAA GATGTTACCC AGGGCAGCCT TGCTGGTCAC 899
GlySerLeuL euLysArgLy sMetLeuPro ArgAlaAlaL euLeuValTh 300

CACGCGGCC AGGGCACTGA GGGACCTCCA GCTCCTGGCG CAGCAGCCGA 949 [A305A](#) [Q310R](#) [Q310Hfs*38](#) [L311H](#) [L311I](#) [Y318CfsX7](#) [Q314fs](#)
rThrArgPro ArgAlaLeuA rgAspLeuGl nLeuLeuAla GlnGlnProI 317

TCTACGTAAG GGTGGAGGGC TTCCTGGAGG AGGACAGGAG GGCCTATTTTC 999 [V319I](#) [R329K](#)
leTyrValAr gValGluGly PheLeuGluG luAspArgAr gAlaTyrPhe 333

CTGAGACACT TTGGAGACGA GGACCAAGCC ATGCGTGCCT TTGAGCTAAT 1049 [D339D](#) [E340K](#) [E340Qfs*11](#)
LeuArgHisP heGlyAspGl uAspGlnAla MetArgAlaP heGluLeuMe 350

GAGGAGCAAC GCGGCCCTGT TCAGCTGGG CTCGGCCCCC GCGGTGTGCT 1099 [F357L](#)
tArgSerAsn AlaAlaLeuP heGlnLeuGl ySerAlaPro AlaValCysT 367

GGATTGTGTG CACGACTCTG AAGCTGCAGA TGGAGAAGGG GGAGGACCCG 1149 [I368I](#) [I368M](#) [K379K](#) [K379N](#) [G380R](#) [P383L](#)
rpIleValCy sThrThrLeu LysLeuGlnM etGluLysGl yGluAspPro 383

GTCCCCACCT GCCTCACCCG CAGGGGCTG TTCCTGCGTT TCCTCTGCAG 1199 [R390Afs*26](#) [R390H](#) [T391A](#) [F394F](#) [L398R](#) [C399Y](#)
ValProThrC ysLeuThrAr gThrGlyLeu PheLeuArgP heLeuCysSe 400

CCGGTTCCCC CAGGGCGCAC AGCTGCGGGG CGCGCTGCGG ACGCTGAGCC 1249 [L412P](#) [R413W](#) [R413Q](#)
rArgPhePro GlnGlyAlaG lnLeuArgGl yAlaLeuArg ThrLeuSerL 417

TCCTGGCCGC GCAGGGCCTG TGGGCGCAGA TGTCCGTGT CCACCGAGAG 1299 [M427T](#) [F430L](#) [F430F](#) [R432X](#)

euLeuAlaAl aGlnGlyLeu TrpAlaGlnM etSerValPh eHisArgGlu 433

[GA](#)[CCT](#)[GGAAA](#) [GGCTCGGGGT](#) [GCAGGAGTCC](#) [GACCTCCGTC](#) [TGTTCCCTGGA](#) 1349 [D434D](#) [L435L](#)

AspLeuGluA rgLeuGlyVa lGlnGluSer AspLeuArgL euPheLeuAs 450

[CGGAGACATC](#) [CT](#)[CGCCAGG](#) [ACAG](#)[AGTCTC](#) [CAAAGGCTGC](#) [TA](#)[CTCCTTCA](#) 1399 [L454L](#) [R458Sfs*69](#) [Y464*](#)

pGlyAspIle LeuArgGlnA spArgValSe rLysGlyCys TyrSerPheI 467

[TCCACCTCAG](#) [CTTC](#)[CAGCAG](#) [TTTCTCACTG](#) [CCCTGTTCTA](#) [CG](#)[CCCTGGAG](#) 1449 [Q472*](#) [A481T](#)

leHisLeuSe rPheGlnGln PheLeuThrA laLeuPheTy rAlaLeuGlu 483

[AAGGAG](#)[GAGG](#) [GGGAGGACAG](#) [GGACGGCCAC](#) [GCCTGGGACA](#) [TC](#)[GGGGACGT](#) 1499 [E486GfsX42](#) [G487E](#) [A494T](#) [I497I](#) [G498R](#)

LysGluGluG lyGluAspAr gAspGlyHis AlaTrpAspI leGlyAspVa 500

[ACAGAAGCTG](#) [CTTTCC](#)[GGAG](#) [AAGAAAGACT](#) [CA](#)[AGAACC](#)[CCC](#) [GACCTGATTC](#) 1549 [G506*](#) [E508DfsX27](#) [K511R](#) [N512fs](#) [P513S](#) [P513L](#)

lGlnLysLeu LeuSerGlyG luGluArgLe uLysAsnPro AspLeuIleG 517

[AAGTAGG](#)[ACA](#) [CTTCT](#)[TATTC](#) [GGCCTCGCTA](#) [ACGAGAAGAG](#) [AGCCAAGGAG](#) 1599 [H520Tfs*46](#) [c.1548_1566dup;1566_1567insAF15169.2:g.106_4191](#)

lnValGlyHi sPheLeuPhe GlyLeuAlaA snGluLysAr gAlaLysGlu 533

[TTGGAGGCCA](#) [CTTT](#)[TGGCTG](#) [CCGGA](#)[TGTC](#) [CCGACATCA](#) [AACAGGAATT](#) 1649 [F538L](#) [M542Tfs](#)

LeuGluAlaT hrPheGlyCy sArgMetSer ProAspIleL ysGlnGluLe 550

[GCTGCAATGC](#) [AAAGCACATC](#) [TTCATGCAAA](#) [TAAGCCCTTA](#) [TCCGTGACCG](#) 1699

uLeuGlnCys LysAlaHisL euHisAlaAs nLysProLeu SerValThrA 567

[ACCTGAAG](#)[GA](#) [GGTCTTGGGC](#) [TGCCT](#)[GTATG](#) [AGTCTCAG](#)[GA](#) [GGAGGAGCTG](#) 1749 [E570X](#) [c.1719_1720insT](#) [L575L](#) [E580*](#)

spLeuLysGl uValLeuGly CysLeuTyrG luSerGlnGl uGluGluLeu 583

GCGAAGGTGG TGGTGGCCCC GTTCAAGGAA ATTTCTATTC ACCTGACAAA 1799 P590P

AlaLysValV alValAlaPr oPheLysGlu IleSerIleH isLeuThrAs 600

TACTTCTGAA GTGATGCATT GTTCTTCAG CCTGAAGCAT TGTCAAGACT 1849 H613Rfs*8 S608F

nThrSerGlu ValMetHisC ysSerPheSe rLeuLysHis CysGlnAspL 617

TGCAGAAACT CTCACTGCAG GTAGCAAAGG GGGTGTTCCT GGAGAATTAC 1899 K619Nfs*18 S621Tfs*16

euGlnLysLe uSerLeuGln ValAlaLysG lyValPheLe uGluAsnTyr 633

ATGGATTTTG AACTGGACAT TGAATTTGAA AGGTGCACTT ACCTAACCAT 1949 E637*

MetAspPheG luLeuAspIl eGluPheGlu ArgCysThrT yrLeuThrIl 650

TCCGAACTGG GCTCGGCAGG ATCTTCGCTC TCTTCGCCTC TGGACAGATT 1999 P651S W653* D657V R659L L661F

eProAsnTrp AlaArgGlnA spLeuArgSe rLeuArgLeu TrpThrAspP 667

TCTGCTCTCT CTTCAGCTCA AACAGCAACC TCAAGTTTCT GGAAGTGAAA 2049 C668R S673X S675T L677PfsX6

heCysSerLe uPheSerSer AsnSerAsnL euLysPheLe uGluValLys 683

CAAAGCTTCC TGAGTGACTC TTCTGTGCGG ATTCTTTGTG ACCACGTAAC 2099 R693W R693G R693P R693Q H698H V699I

GlnSerPheL euSerAspSe rSerValArg IleLeuCysA spHisValTh 700

CCGTAGCACC TGTCATCTGC AGAAAGTGGA GATTAAAAAC GTCACCCCTG 2149 R701C C704Y V714I P716A P716S P716LfsX21

rArgSerThr CysHisLeuG lnLysValGl uIleLysAsn ValThrProA 717

ACACCGCGTA CCGGGACTTC TGTCTTGCTT TCATTGGGAA GAAGACCCTC 2199 A719V R721W R721Q D722G

spThrAlaTy rArgAspPhe CysLeuAlaP heIleGlyLy sLysThrLeu 733

ACGCACCCTGA CCCTGGCAGG GCACATCGAG TGGGAACGCA CGATGATGCT 2249 H735P I742I E743* L750Y

ThrHisLeuT hrLeuAlaG1 yHisIleGlu TrpGluArgT hrMetMetLe 750

GATGCTGTGT GACCTGCTCA GAAATCATAA ATGCAACCTG CAGTACCTGA 2299 C761Y

uMetLeuCys AspLeuLeuA rgAsnHisLy sCysAsnLeu GlnTyrLeuA 767

GGTTGGGAGG TCACTGTGCC ACCCCGGAGC AGTGGGCTGA ATTCTTCTAT 2349 P775P E776Gfs*14 W778X

rgLeuGlyG1 yHisCysAla ThrProGluG lnTrpAlaG1 uPhePheTyr 783

GTCCTCAAAG CCAAACAGTC CCTGAAGCAC CTGCGTCTCT CAGCCAATGT 2399 N788N R795C A798fs

ValLeuLysA laAsnGlnSe rLeuLysHis LeuArgLeuS erAlaAsnVa 800

GCTCCTGGAT GAGGGTGCCA TGTGCTGTGA CAAGACCATG ACACGCCCAA 2449 R815H

lLeuLeuAsp GluGlyAlaM etLeuLeuTy rLysThrMet ThrArgProL 817

AACACTTCCT GCAGATGTIG TCGTTGGAAA ACTGTCTCTCT TACAGAAGCC 2499 L820Cfs*29 L823X c.2482 2483delTG A833T

ysHisPheLe uGlnMetLeu SerLeuGluA snCysArgLe uThrGluAla 833

AGTTGCAAGG ACCTTGCTGC TGTCTTGGTT GTCAGCAAGA AGCTGACACA 2549

SerCysLysA spLeuAlaA1 aValLeuVal ValSerLysL ysLeuThrHi 850

CCTGTGCTTG GCCAAGAACC CCAITGGGGA TACAGGGGTG AAGTTTCTGT 2599 I858HfsX11 I858T

sLeuCysLeu AlaLysAsnP roIleGlyAs pThrGlyVal LysPheLeuC 867

GTGAGGGCTT GAGTTACCCT GATTGTAAAC TGCAGACCTT GGTGTTACAG 2649 Y872* L880S

ysGluGlyLe uSerTyrPro AspCysLysL euGlnThrLe uValLeuGln 883

CAATGCAGCA TAACCAAGCT TGGCTGTAGA TAICTCTCAG AGGCGCTCCA 2699 Y894Y

GlnCysSerI leThrLysLe uGlyCysArg TyrLeuSerG luAlaLeuGl 900

AGAAGCCTGC AGCCTCACAA A~~C~~CTGGACTT GAGTATCA~~A~~C CAGATAGCTC 2749 [A902A](#) [N907N](#) [N913S](#)

nGluAlaCys SerLeuThrA snLeuAspLe uSerIleAsn GlnIleAlaA 917

GTGGATTGTG GATTCTCTGT CAGGCAT~~I~~AG AGAATCCAAA C~~I~~TGTAACCTA 2799 [W920*](#) [W920*\(2760\)](#) [A925A](#) [L926*](#) [C931X](#)

rgGlyLeuTr pIleLeuCys GlnAlaLeuG luAsnProAs nCysAsnLeu 933

AAACACCTAC GCCTCTGGAG CTGCTCCCTC ATGCCTTTTCT ATTGTCAGCA 2849

LysHisLeuA rgLeuTrpSe rCysSerLeu MetProPheT yrCysGlnHi 950

TCTTGGATCT GCTCTCCTCA GCAATCAGAA GCTTGAAACT C~~T~~GGACCTGG 2899 [L964P](#)

sLeuGlySer AlaLeuLeuS erAsnGlnLy sLeuGluThr LeuAspLeuG 967

GCCAGAATCA TTTGTGGAAG AGTGGCATAA TTAAGCTCTT TGGGGTTCTA 2949 [G981Rfs](#)

lyGlnAsnHi sLeuTrpLys SerGlyIleI leLysLeuPh eGlyValLeu 983

AGACAAAGAA CTGGATCCTT GAAGATACTC AGGTTGAAGA CCTATGAAAC 2999

ArgGlnArgT hrGlySerLe uLysIleLeu ArgLeuLysT hrTyrGluTh 1000

TAATTTGGAA ATCAAGAAGC TGTTGGAGGA AGTCAAAGAA AAGAATCCCA 3049

rAsnLeuGlu IleLysLysL euLeuGluGl uValLysGlu LysAsnProL 1017

AGCTGACTAT TG~~A~~TTGCAAT GCTTCCGGGG CA~~A~~CGGCACC TCCGTGCTGT 3099 [D1021V](#) [T1028A](#)

ysLeuThrIl eAspCysAsn AlaSerGlyA laThrAlaPr oProCysCys 1033

GACTTTTTTTT GCTGAGCAG~~C~~ CTGGGATCGC TCTA~~C~~GAATT ACACAGGAAG *35 [c.*5C>T](#) [c.*20C>T](#)

AspPhePheC ysStop

CGGGATTCGG GTCTCTAAGA TGTCTTATGA ATGCAGGTCA GAGGGTCACA *85 c.*44G>A
TGTTAACACT AGAGTCTGTC GAGAGGTAGG ATTTGACACT GGTTTTCTCA *135
CTATTTTTGG GAGATTCTGC ACGAGTCACG CACCCCCTTC ACATGACGCT *185 c.*180G>C
ATGTACTTTC TCACAGGGAT AATAAAGTTA GAGCACTCTC

NLRP7 (NM_001127255.2) - cDNA + Protein - 2026-07-11

