



LPIN2 (NM_001375808.2) - cDNA + Protein - 2026-05-25

GCAGTCCAGC CGCCGCCTGC CCTCAGCCGC CCGCTGGCCG GGAGCGGAGC -18
CCCTGTGGTC TCAAACCATG AATTATGTGG GACAGCTGGC TGGGCAGGTG 33
Met AsnTyrValG lyGlnLeuAl aGlyGlnVal 11

ATTGTCACTG TGAAGGAACT CTACAAGGGC ATTAACCAGG CCACCCTCTC 83
IleValThrV alLysGluLe uTyrLysGly IleAsnGlnA laThrLeuSe 28

TGGGTGCATT GATGTCATCG TGGTACAGCA GCAGGATGGC AGCTATCAGT 133 [O44Hfs*13](#)
rGlyCysIle AspValIleV alValGlnGl nGlnAspGly SerTyrGlnC 45

GTTCACCTTT TCACGTTCCG TTTGGAAAGC TGGGAGTCCT GAGATCCAAA 183
ysSerProPh eHisValArg PheGlyLysL euGlyValLe uArgSerLys 61

GAGAAAGTGA TTGATATAGA AATCAACGGC AGTGCAGTGG ATCTTCACAT 233
GluLysValI leAspIleGl uIleAsnGly SerAlaValA spLeuHisMe 78

GAAGTTGGGT GATAACGGAG AAGCTTTCTT TGTTGAGGAG ACTGAAGAAG 283
tLysLeuGly AspAsnGlyG luAlaPhePh eValGluGlu ThrGluGluG 95

AATATGAAAA GCTTCCTGCT TACCTTGCCA CCTCACCAAT TCCTACTGAA 333
luTyrGluLy sLeuProAla TyrLeuAlaT hrSerProIl eProThrGlu 111

GATCAGTTCT TTAAGATAT TGACACCCCT TTGGTGAAAT CGGGTGGAGA 383

AspGlnPheP heLysAspIl eAspThrPro LeuValLysS erGlyGlyAs 128

TGAAACACCA TCTCAGAGTT CAGACATCTC ACACGTCTTG GAAACAGAGA 433

pGluThrPro SerGlnSerS erAspIleSe rHisValLeu GluThrGluT 145

CAATTTTAC TCCAAGTTCT GTGAAAAAGA AAAAACGAAG GAGAAAGAAA 483

hrIlePheTh rProSerSer ValLysLysL ysLysArgAr gArgLysLys 161

TACAAACAGG ACAGTAAGAA GGAAGAGCAG GCCGCATCTG CTGCTGCAGA 533

TyrLysGlnA spSerLysLy sGluGluGln AlaAlaSerA laAlaAlaGl 178

AGACACATGT GATGTAGGCG TGAGCTCCGA TGATGACAAG GGGGCCCAGG 583 T180fs

uAspThrCys AspValGlyV alSerSerAs pAspAspLys GlyAlaGlnA 195

CAGCACGAGG ATCTTCAAAT GCTTCCTTGA AAGAAGAAGA ATGTAAAGAG 633

laAlaArgGl ySerSerAsn AlaSerLeuL ysGluGluGl uCysLysGlu 211

CCTTTGCTCT TCCATTCTGG GGATCATTAC CCCTTATCTG ATGGAGATTG 683

ProLeuLeuP heHisSerGl yAspHisTyr ProLeuSerA spGlyAspTr 228

GTCCCCTTTA GAGACCACCT ATCCCCAGAC AGCGTGTCCCT AAGAGTGATT 733

pSerProLeu GluThrThrT yrProGlnTh rAlaCysPro LysSerAspS 245

CAGAGCTGGA GGTGAAACCT GCGGAGAGCC TGCTCAGATC AGAGTCTCAC 783

erGluLeuGl uValLysPro AlaGluSerL euLeuArgSe rGluSerHis 261

ATGGAGTGA CGTGGGGCGG ATTCCCAGAG TCCACCAAGG TCAGCAAAAG 833 p.16kdel

MetGluTrpT hrTrpGlyGl yPheProGlu SerThrLysV alSerLysAr 278

AGAACGATCT GACCATCATC CTAGGACAGC TACAATTACA CCATCAGAAA 883

gGluArgSer AspHisHisP roArgThrAl aThrIleThr ProSerGluA 295

ATACTCATT TCGGGTAATT CCCAGTGAGG ACAACCTCAT CAGTGAAGTT 933 [R299W](#)

snThrHisPh eArgValIle ProSerGluA spAsnLeuIl eSerGluVal 311

GAGAAGGATG CTTCCATGGA AGACACTGTC TGTACCATAG TGAAGCCCAA 983

GluLysAspA laSerMetGl uAspThrVal CysThrIleV alLysProLy 328

ACCCAGAGCC CTGGGTACAC AGATGAGCGA CCCAACATCT GTGGCAGAGC 1033 [A331S](#)

sProArgAla LeuGlyThrG lnMetSerAs pProThrSer ValAlaGluL 345

TTCTCGAAC TCCTCTTGAG AGTACTCAGA TTTCATCTAT GTTAGATGCT 1083 [P348L](#)

euLeuGluPr oProLeuGlu SerThrGlnI leSerSerMe tLeuAspAla 361

GACCACCTTC CCAACGCAGC CTTAGCGGAG GCGCCCTCAG AATCCAAACC 1133

AspHisLeuP roAsnAlaAl aLeuAlaGlu AlaProSerG luSerLysPr 378

GGCAGCTAAA GTAGACTCGC CGTCAAGAA GAAAGGTGTT CACAAAAGAA 1183 [K387E](#)

oAlaAlaLys ValAspSerP roSerLysLy sLysGlyVal HisLysArgS 395

GCCAACACCA GGGACCTGAT GATATTTACC TTGATGACTT AAAGGGTCTA 1233

erGlnHisGl nGlyProAsp AspIleTyrL euAspAspLe uLysGlyLeu 411

GAACCTGAAG TTGCAGCTCT TTATTTCCCT AAAAGTGAAT CGGAGCCC GG 1283 [G428S](#)

GluProGluV alAlaAlaLe uTyrPhePro LysSerGluS erGluProGl 428

TTCAGGCAG TGGCCCGAGT CTGACACA~~CT~~ CTCTGGCTCC CAGTCCCCAC 1333 [p.Ser439Trpfs*15](#)
ySerArgGln TrpProGluS erAspThrLe uSerGlySer GlnSerProG 445

AGTCCGTGGG AAGCGCAGCT GCAGATAGCG GCACCGAGTG CCTCTCAGAT 1383
lnSerValG1 ySerAlaAla AlaAspSerG lyThrGluCy sLeuSerAsp 461

TCTGCCATGG ACTTGCCCTGA CGTTACCCTC TCCCTTTGCG GGGGCCTCAG 1433
SerAlaMetA spLeuProAs pValThrLeu SerLeuCysG lyGlyLeuSe 478

TGAAAATGGA GAAATTTCAA ~~AA~~GAAAAATT CATGGAGCAT ATCATTACTT 1483 [E486Kfs*20](#)
rGluAsnGly GluIleSerL ysGluLysPh eMetGluHis IleIleThrT 495

ATCACGAATT TGCAGAAAAC CCTGGA~~CTTA~~ TAGACAATCC TAACCTTGTA 1533 [L504F](#)
yrHisGluPh eAlaGluAsn ProGlyLeuI leAspAsnPr oAsnLeuVal 511

ATAAGGATAT ATAATC~~GTTA~~ CTATAACTGG GCTTTGGCAG CTCCCATGAT 1583 [R517H](#)
IleArgIleT yrAsnArgTy rTyrAsnTrp AlaLeuAlaA laProMetIl 528

CCTTAGCTTG CAAGTATTCC AGAAGAGCTT GCCTAAGGCC ACAGTTGAGT 1633
eLeuSerLeu GlnValPheG lnLysSerLe uProLysAla ThrValGluS 545

CCTGGGTGAA AGACAAGATG CCAAAGAAAT CTGGTCGCTG GTGGTTTTGG 1683
erTrpValLy sAspLysMet ProLysLysS erGlyArgTr pTrpPheTrp 561

~~CG~~AAAGA~~GAG~~ AAAGCATGAC CAAACAGCTG CCAGAATCCA AGGAGGGAAA 1733 [R562Q](#) [R564Kfs*3](#) [c.1691_1694delGAGA](#) [E565Kfs*15](#)
ArgLysArgG luSerMetTh rLysGlnLeu ProGluSerL ysGluGlyLy 578

[A](#)[T](#)[C](#)[T](#)[G](#)[A](#)[G](#)[G](#)[C](#)[A](#) [C](#)[C](#)[G](#)[C](#)[C](#)[A](#)[G](#)[C](#)[C](#)[A](#) [G](#)[T](#)[G](#)[A](#)[C](#)[C](#)[T](#)[G](#)[C](#)[C](#) [A](#)[T](#)[C](#)[C](#)[A](#)[G](#)[C](#)[T](#)[C](#)[C](#) [A](#)[A](#)[G](#)[G](#)[A](#)[G](#)[C](#)[C](#)[G](#) 1783 [S579P](#)
sSerGluAla ProProAlaS erAspLeuPr oSerSerSer LysGluProA 595

[C](#)[C](#)[G](#)[G](#)[T](#)[G](#)[C](#)[C](#)[A](#)[G](#) [G](#)[C](#)[G](#)[G](#)[C](#)[C](#)[G](#)[A](#)[G](#) [A](#)[A](#)[T](#)[G](#)[A](#)[C](#)[T](#)[C](#)[C](#)[T](#) [C](#)[G](#)[A](#)[G](#)[T](#)[G](#)[A](#)[C](#)[G](#)[A](#) [G](#)[G](#)[G](#)[A](#)[T](#)[C](#)[A](#)[C](#)[A](#)[G](#) 1833 [G596S](#) [P599L](#) [E601K](#)
laGlyAlaAr gProAlaGlu AsnAspSerS erSerAspGl uGlySerGln 611

[G](#)[A](#)[G](#)[C](#)[T](#)[C](#)[G](#)[A](#)[A](#)[G](#) [A](#)[A](#)[T](#)[C](#)[C](#)[A](#)[T](#)[C](#)[A](#)[C](#) [A](#)[G](#)[T](#)[G](#)[G](#)[A](#)[C](#)[C](#)[C](#)[C](#) [A](#)[T](#)[C](#)[C](#)[C](#)[C](#)[A](#)[C](#)[A](#)[G](#) [A](#)[G](#)[C](#)[C](#)[C](#)[C](#)[T](#)[G](#)[A](#)[G](#) 1883 [P626S](#)
GluLeuGluG luSerIleTh rValAspPro ileProThrG luProLeuSe 628

[C](#)[C](#)[A](#)[C](#)[G](#)[G](#)[C](#)[A](#)[G](#)[C](#) [A](#)[C](#)[A](#)[A](#)[C](#)[T](#)[T](#)[C](#)[A](#)[T](#) [A](#)[T](#)[A](#)[G](#)[A](#)[A](#)[G](#)[T](#)[C](#) [T](#)[C](#)[T](#)[C](#)[C](#)[G](#)[C](#)[C](#)[T](#)[C](#) [T](#)[C](#)[C](#)[T](#)[C](#)[A](#)[G](#)[A](#)[C](#)[C](#) 1933 [D644G](#)
rHisGlySer ThrThrSerT yrLysLysSe rLeuArgLeu SerSerAspG 645

[A](#)[G](#)[A](#)[T](#)[C](#)[G](#)[C](#)[A](#)[A](#)[A](#) [A](#)[C](#)[T](#)[G](#)[A](#)[A](#)[G](#)[C](#)[T](#)[C](#) [C](#)[A](#)[C](#)[G](#)[A](#)[T](#)[G](#)[G](#)[C](#)[C](#) [C](#)[A](#)[A](#)[A](#)[T](#)[G](#)[A](#)[T](#)[G](#)[T](#) [T](#)[G](#)[T](#)[G](#)[T](#)[T](#)[T](#)[A](#)[G](#)[T](#) 1983 [G654D](#)
lnIleAlaLy sLeuLysLeu HisAspGlyP roAsnAspVa lValPheSer 661

[A](#)[T](#)[T](#)[A](#)[C](#)[A](#)[A](#)[C](#)[C](#)[C](#) [A](#)[G](#)[T](#)[A](#)[T](#)[C](#)[A](#)[A](#)[G](#)[G](#) [C](#)[A](#)[C](#)[C](#)[T](#)[G](#)[T](#)[C](#)[G](#)[C](#) [T](#)[G](#)[T](#)[G](#)[C](#)[A](#)[G](#)[G](#)[G](#)[A](#) [C](#)[C](#)[A](#)[T](#)[T](#)[T](#)[A](#)[C](#)[C](#)[T](#) 2033
ileThrThrG lnTyrGlnGl yThrCysArg CysAlaGlyT hrIleTyrLe 678

[G](#)[T](#)[G](#)[G](#)[A](#)[A](#)[C](#)[T](#)[G](#)[G](#) [A](#)[A](#)[T](#)[G](#)[A](#)[C](#)[A](#)[A](#)[G](#)[A](#) [T](#)[C](#)[A](#)[T](#)[C](#)[A](#)[T](#)[T](#)[C](#) [T](#)[G](#)[A](#)[T](#)[A](#)[T](#)[T](#)[G](#)[A](#)[T](#) [G](#)[G](#)[G](#)[A](#)[C](#)[A](#)[A](#)[T](#)[A](#)[A](#) 2083 [W681Gfs*14](#)
uTrpAsnTrp AsnAspLysI leIleIleSe rAspIleAsp GlyThrIleT 695

[C](#)[C](#)[A](#)[A](#)[G](#)[T](#)[C](#)[G](#)[G](#)[A](#) [T](#)[G](#)[C](#)[T](#)[T](#)[T](#)[G](#)[G](#)[G](#)[A](#) [C](#)[A](#)[G](#)[A](#)[T](#)[T](#)[C](#)[T](#)[C](#)[C](#) [C](#)[A](#)[C](#)[A](#)[G](#)[C](#)[T](#)[G](#)[G](#)[G](#) [C](#)[A](#)[A](#)[G](#)[A](#)[C](#)[T](#)[G](#)[G](#) 2133
hrLysSerAs pAlaLeuGly GlnIleLeuP roGlnLeuGl yLysAspTrp 711

[A](#)[C](#)[C](#)[C](#)[A](#)[C](#)[C](#)[A](#)[G](#)[G](#) [G](#)[T](#)[A](#)[T](#)[A](#)[G](#)[C](#)[A](#)[A](#)[A](#) [G](#)[C](#)[T](#)[C](#)[T](#)[A](#)[C](#)[C](#)[A](#)[T](#) [T](#)[C](#)[C](#)[A](#)[T](#)[C](#)[A](#)[A](#)[T](#)[G](#) [A](#)[G](#)[A](#)[A](#)[T](#)[G](#)[G](#)[C](#)[T](#)[A](#) 2183 [I716Vfs*2](#)
ThrHisGlnG lyIleAlaLy sLeuTyrHis SerIleAsnG luAsnGlyTy 728

[C](#)[A](#)[A](#)[G](#)[T](#)[T](#)[T](#)[C](#)[T](#)[G](#) [T](#)[A](#)[C](#)[T](#)[G](#)[C](#)[T](#)[C](#)[G](#)[G](#) [C](#)[T](#)[C](#)[G](#)[T](#)[G](#)[C](#)[C](#)[A](#)[T](#) [C](#)[G](#)[G](#)[C](#)[A](#)[T](#)[G](#)[G](#)[C](#)[C](#) [G](#)[A](#)[C](#)[A](#)[T](#)[G](#)[A](#)[C](#)[C](#)[C](#) 2233 [Y732Stop](#) [S734L](#) [R736C](#) [R736H](#) [A741A](#)

rLysPheLeu TyrCysSerA laArgAlaIl eGlyMetAla AspMetThrA 745

GTGGCTACCT GCACTGGGTC AATGACAAGG GCACAATCTT GCCCCGGGGC 2283 Y747*

rgGlyTyrLe uHisTrpVal AsnAspLysG lyThrIleLe uProArgGly 761

CCCCTGATGC TGTCCCCCAG CAGCTTGTTT TCCGCCTTCC ACAGAGAAGT 2333

ProLeuMetL euSerProSe rSerLeuPhe SerAlaPheH isArgGluVa 778

GATAGAAAAG AAACCAGAGA AGTTCAAAT TGAGTGTCTA AATGATATCA 2383

lIleGluLys LysProGluL ysPheLysIl eGluCysLeu AsnAspIleL 795

AGAATCTGTT TGCCCCGTCT AAGCAGCCCT TCTATGCTGC CTTTGGAAAC 2433

ysAsnLeuPh eAlaProSer LysGlnProP heTyrAlaAl aPheGlyAsn 811

CGTCCAAATG ATGTCATATGC CTACACACAA GTTGGAGTTC CAGACTGTAG 2483 G823A

ArgProAsnA spValTyrAl aTyrThrGln ValGlyValP roAspCysAr 828

AATATTCACC GTGAACCCCA AGGGTGAATT AATACAAGAA AGAACCAAAG 2533

gIlePheThr ValAsnProL ysGlyGluLe uIleGlnGlu ArgThrLysG 845

GAAACAAGTC ATCGTATCAC AGGCTGAGTG AGCTCGTGGG GCATGTGTTC 2583

lyAsnLysSe rSerTyrHis ArgLeuSerG luLeuValGl uHisValPhe 861

CCCCTTCTCA GTAAGGAGCA GAATTCGGCT TTTCCCTGCC CGGAGTTCAG 2633 C874F P875P

ProLeuLeuS erLysGluGl nAsnSerAla PheProCysP roGluPheSe 878

CTCCTTCTGC TACTGGCGAG ACCCGATCCC TGAAGTGGAC CTGGATGACC 2683

rSerPheCys TyrTrpArgA spProIlePr oGluValAsp LeuAspAspL 895

TGTCCTGAGG CGGCACCTCA GTGGGTGGGC AGGGCTTGGT CCCCCTCCCC *42 c.*3C>T

euSerStop

ACAGCAAGGG AAGGCAGCTG GCTCTTCTGC TGACCTCAGA TACCAGCCTT *92
CCCCAGCGGG GACGGGTGCT TCTGGAGCTG GTCCCGCCAT CCTCCTTTGC *142
CTTCCCAGGC CAGCTGCTCA GGCTCGGCAG GTCTGCAGCT CAGCTCCTGG *192
AAGGAGAAGG GAGGAACTGG GCCTGGGGCT GGAGGCCTGG GATCCCTCCT *242
TTGTGGGTCTG CACACATGTT TCCTGCTGTG AGCTGGGGCC TCCTTCCATT *292
GCATCATTTT AAAGGAAGAA AAAAGCAGCT AAAAAAGAGT GGACC AAAAC *342
ACTGCACACA GTGAAGTGTT CCAGTTTCCA CTGGGCAGTT GAGGTGGCTT *392
CTGTAACCAG GGCTGTCTTC AGATGTCAGG GTCCCTGAAC TGCTGCGGGC *442
CCAGTCAGTG ATGCTGGCTG AAGCTGCCTG TGCACGTTTC TTCTCTGGTC *492
GCCTCATTTT CTGCTACACT GAAGGGTCA GCTGCTCCAG TGGGCCAAGT *542
TGGGCAGGAC CCCC GCCCT GCAGGGCCCA TGCACCAGAG CCACTGAGCC *592
CAGTCCCATA AACCTGGCCC TCTTTGGGGA AAGATCCCCA CAGAGCATCC *642
TCCTCTCATC TGTGACAACT CCACGAGCCC TTAATTTCTT AGTCCTCACC *692
AGAAGAACAG GTCTCACAAG TATATATTTG ATGTCTGTAA TAAAAGTGGG *742
AAGGTGGGTC TAAAACAGA CCAAACCCCG CCCC GCCCTT AACA ACTCTG *792
CTTTTAGGGA GGCTCCGAA ATGCAGATAG GCGGTTGAGT GGGGTCCTGG *842
GAAGAGCGCT GAATCCCTCT GCTTGCTGCC TGGTGTGGGC CTTTGAAAAG *892
CATCTTGCC TGGGACAGGA TTTCTAAAAT TCTGTGATTC AGATTTGTCA *942
GGGAAGCACA GTGAAGCTTG CTTAAAGGCA CTGGCCAGCA GTGTGTGACT *992
TTGGCTTTTG GGATCACACC CTGTAATCGG GCCCGTGGAA GCAGCGTCAA *1042
AGAGGGTCT TGGAGCTCCT ATGGAGCAGA CTGCCCCCG AGCAGTGTCC *1092
CCAGCCTAGC CCTGTGAGAC CCCATGGGGA CACGGGTGCC TATGTATTTT *1142
CACTAAAATA TACATGGTAG CTCCATTTAC TGATGCGGTT GTAATGAGCT *1192
CACATCGTGT CTGAAGAGAT GGCACCAGG AAAGGTGTGC CATAAGCTGC *1242

TCCAGAGCTT TTGGTATGCT GAGTGTGAC AGAGCTGCAC TCTTAACATC *1292
AAGAGAACTG TCAGGAGCCC AGAACCAACC CCAGGTCCTG GTCTCCATTG *1342
GCGAGAACAC AGGACGTGGT GGTTCCTGAG CAGAGAGGGA TCTGCAGATA *1392
CAGGCTTGGC GCTCGGGGTG GTCTCGTGGC CAACTCTTCA TGCCCCTGCC *1442
GTTGTAGTGG AACCTCTACA TGTTTTAGTT TGCTTCACCT AAAATAATGC *1492
TGATCTAGAG ATAGAGAAAT AGGGGTGGTT ATTTTCCAG ATTGGAGAGT *1542
TGAAAGTCCC TGACTGATTT CAGCCATTTT CCTAGTGCTT GTCGGATGCA *1592
GAGACAATGT TGAAATCCCC TAAACACAGT TCTCAGTGGC AAAACCTAGG *1642
AAGGCTCATG TTCCCAGAGA AGGGACCACA TGAGCCTTCT CCCATGCAAA *1692
GCTTCCCCCA GCTTAAATAG TTGATAAGGA CTAATTGTTT AATGAGTTTA *1742
TTTATCTACA GTAGGTTAGG GATCCTGGGT TCTGTTTATA TGAAGTTCTT *1792
CCCAGTTTGT GAATCTAGT ACAGCAGCCA TGCAGCCACC TTATTTTATA *1842
GATGCCATCT GTGTGTCCCTC TTGACTACCT TCTATTTAGA GGAAGAATGA *1892
GAGCTTTGTG TGTTTAACTG AGCTTATAGT AGGACTTCTT TGCATATGTA *1942
TGGTACTGAA AAATCTTAAT ATACATCTTT AATCCTTTTT AGGTTGTCCT *1992
TTAAAGAGTT TTTGACTAGT TTCTTTTTCT TGACAGCTCT TCTCTTTGGA *2042
CACATGGGCC TTCTTAGAGG GTTCAGTCTA GGACCCGGCT CTCCTGGCCC *2092
TGTGTTGAGG GTAGCTGGTC CCTCTGTCCC TGTGTCTGCT AGCACTAGAC *2142
TTTGTGCTG CAGATTGATC CAGTGGGTAC ATAGGCTAAT TAATGTGAGT *2192
CTTTTTCCCTT GTTTAAAGGA GTCCCTCTTG CTGAAAGTAG ATGATTACTA *2242
TTGCTGTAGT GTTAGGAAAG TATTAAGTTT GTGCTGAAAA TCCATTGCCA *2292
TTTGGTACAA ATGACATTTG TTCCTTCTGT GAAAGAGATG CCCTCGAGTG *2342
TGTTTGTACA CAAACCCTTA GGATGGTGAG TTGAAGCATC ACCCTCGCGC *2392
TATCTTCAGT GACGGGTGAC GGCTCAGGGA GATGGCAGGC AGATTGGGCT *2442
CTAAGTCATT ATTCTCTCAG TTACTCCATT GGTGAAATGG CCCTTTCCCT *2492
CTTTGCAGTT CAGTCTAAGT CTCGTATTTG CTTTGCTGTC TGTGTGCTGA *2542
AGCTCGTCCC GTGTGAGTTG CTGTCTGCC CTTGTCAGGC TGTGAGGTGC *2592
TCGTGTAGAC CTGGAGCATG CAGGCTGCCT CCGTTTTTGG GTACTGTGTT *2642

GTGTTTTGCT CTGTCTAAAA ACATCTGCAT AGTTTTCAAC TGGAAAAAGA *2692
AAAAACTTAA AAATGGGATG TCCTAAAAATG AAAGCTGCTC AAAGTCACAG *2742
AACAAACCGAG GGACAAAGGA GATTGGATGA CTGGGAAGCG CTGGCCCCGA *2792
ACAGCCCCCTG CAACTGTGGG GCCTGCACAC AGCCCTTCCA CAGTTGGCAC *2842
TGCAGGTGCA GGCCAACCCT TTAAAGAATA AACAAGGAAG TCAGCTCTTT *2892
CACTTTTTAC AAGTTGGCAA AAACAGACTT CCGGGGAATT TCGATGTTTT *2942
CCCGTGTGTG AGAGCTTCCA GGGTTTAATA AAACCTGGTTA AAAATTGAGT *2992
CTTTCCCTGA AGTAAGTGCT CTTTCCAGAT GAAAAC TACT CTTTTGGTTT *3042
TGTTTGAAAG TAAGAAAGG AGGGGAAACT TTGCTCTTTT AATAATTATG *3092
TTCAGCCTAT GATGAAGTAT TTGATTATTA GACAGCAATG TCACTAATAA *3142
GTTTTAAGTT GTCCAAAGTT AATTGTAAAC ATCATCAGTA CAGTACTCTT *3192
AGTTACAGTA AAGCAATTGT TGCAAGATGA ATGGCTAATA TTTTGGTGCA *3242
GTGTTTGATG TTCAAAACAA AATGTTACAA CAATAAACGA ACATAACATA *3292

AA

LPIN2 (NM_001375808.2) - cDNA + Protein - 2026-05-25

