



NOD2 (NM_022162.3) - cDNA - 2026-04-24

ACTTACTTGT GGCCTGTCCC CTCGTGAATG TGTCTCATGT CCCAGTGGG -247
GTTTTTCAGT GAGGGTCATG GTCTCCAGGA TGCACAAGGC TTTGTGCCAG -197
AATTGCTTGG AATTGCCTAG TTCTGGAAGG CTGGTTGGCC AACTCTGGCC -147
TCCGGCTTTT CCTTTGGGAA TTTCCCTTGA AGGTGGGGTT GGTAGACAGA -97
TCCAGGCTCA CCAGTCCTGT GCCACTGGGC TTTTGGCGTT CTGCACAAGG -47 [c.-53C>T](#)
CCTACCCGCA GATGCCATGC CTGCTCCCC AGCCTAATGG GCTTTGATGG 4
GGGAAGAGGG TGGTTCAGCC TCTCACGATG AGGAGGAAAG AGCAAGTGTC 54
CTCCTCGGAC ATTCTCCGGG TTGTGAAATG TGCTCGCAGG AGGCTTTTCA 104
GGCACAGAGG AGCCAGCTGG TCGAGCTGCT GGTCTCAGGG TCCCTGGAAG 154 [R38M](#) [E43Y](#)
GCTTCGAGAG TGTCCCTGGAC TGGCTGCTGT CCTGGGAGGT CCTCTCCTGG 204
GAGGACTACG AGGGCTTCCA CCTCCTGGGC CAGCCTCTCT CCCACTTGGC 254 [L81Y](#)
CAGGCGCCTT CTGGACAACG TCTGGAATAA GGGTACTTGG GCCTGTCAGA 304 [T91A](#)
AGCTCATCGC GGCTGCCCAA GAAGCCCAGG CCGACAGCCA GTCCCCAAG 354 [A105A](#) [D113N](#)
CTGCATGGCT GCTGGGACCC CCACTCGCTC CACCCAGCCC GAGACCTGCA 404 [L119L](#)
GAGTCACCGG CCAGCCATTG TCAGGAGGCT CCACAGCCAT GTGGAGAACA 454 [R138Q](#) [A140T](#)
TGCTGGACCT GGCA~~T~~GGGAG CGGGTTTTCG TCAGCCAGTA TGAATGTGAT 504 [D154N](#) [L155Q](#) [W157R](#)
GAAATCAGGT TGCCGATCTT CACACCGTCC CAGAGGGCAA GAAGGCTGCT 554 [S178S](#)
TGATCTTGCC ACGGTGAAAG CGAATGGATT GGCTGCCTTC CTTCTACAAC 604 [T189M](#) [T189T](#) [F198L](#)
ATGTTACAGGA ATTA~~C~~CAGTC CCATTGGCC C TGCC~~T~~TTGGA AGCTGCCACA 654 [P207A](#) [A211A](#)
TGCAAGAAGT ATATGGCCA~~A~~ GCTGAGGACC ACGGTGTCTG CT~~C~~AGTCT~~C~~G 704 [K225M](#) [Q233X](#) [R235C](#)
CTTCCTCAGT ACCTATGATG GAGCAGAGAC GCTCTGCC~~T~~G GAGGACATAT 754 [T245M](#) [L248R](#)
ACACAGAGAA TGTCCCTGGAG GTCTGGGCAG ATGTGGGCAT GGCTGGA~~C~~CC 804 [P268S/SNP5](#)

CCGCAGAAGA GCCCAGCCAC CCTGGGCCTG GAGGAGCTCT TCAGCACCCC 854
TGGCCACCTC AATGACGATG CGGACACTGT GCTGGTGGTG GGTGAGGCGG 904 H287Y N289S D291N A292V T294S V298V A301V
GCAGTGGCAA GAGCACGCTC CTGCAGCGGC TGCACCTGCT GTGGGCTGCA 954 R311W
GGGCAAGACT TCCAGGAATT TCTCTTTGTC TTCCCATTC A GCTGCCCGGCA 1004 R334W R334O
GCTGCAGTGC ATGGCCAAAC CACTCTCTGT GCGGACTCTA CTCTTTGAGC 1054 L348V L349F
ACTGCTGTTG GCCTGATGTT GGTCAAGAAG ACATCTTCCA GTTACTCCTT 1104 H352R W355X D357A I363F
GACCACCCCTG ACCGTGTCCCT GTTAACCTTT GATGGCTTTG ACGAGTTCAA 1154 H343Y R373C D382N D382E E383K E383G
GTTTCAGGTTT ACGGATCGTG AACGCCACTG CTCCCAGACC GACCCACCT 1204 D390V R391C E392K R393H P397L
CTGTCCAGAC CCTGCTCTTC AACCTTCTGC AGGGCAACCT GCTGAAGAAT 1254 N414S
GCCCCGAAGG TGGTGACCAG CCGTCCGGCC GCTGTGTCCG CGTTCCTCAG 1304 R426H P427S P427P S431L A432V
GAAGTACATC CGCACCAGT TCAACCTCAA GGGCTTCTCT GAACAGGGCA 1354 E441K
TCGAGCTGTA CCTGAGGAAG CGCCATCATG AGCCCAGGGT GCGGACCGC 1404 L456L R459R/SNP6 P463A G464W R468C
CTCATCCGCC TGCTCCAAGA GACCTCAGCC CTGCAAGGTT TGTGCCACCT 1454 L469F R471C T476P H480R G481D c.1447T>C C483W
GCCTGTCTTC TCATGGATGG TGTCCAAATG CCACCAGGAA CTGTTGCTGC 1504 W490L W490S C495Y H496L E498 L500delinsV E498D L501P
AGGAGGGGGG GTCCCAAAG ACCACTACAG ATATGTACCT GCTGATTCTG 1554 E503E S506Pfs*11 P507S T510I D512H D512Y D512V M513T M513R
CAGCATTTTC TGCTGCATGC CACCCCCTCA GACTCAGCTT CCCAAGGTCT 1604 H520Y P527P
GGGACCCAGT CTTCTTCGGG GCCGCCCTCC CACCTCCTG CACCCTGGGCA 1654 R541fs R541W R541P L550V
GACTGGCTCT GTGGGGCTG GGCATGTGCT GCTACGTGTT CTCAGCCCAG 1704 S58DELLG Y563H
CAGCTCCAGG CAGCACAGGT CAGCCCTGAT GACATTTCTC TTGGCTTCCT 1754
GGTGCGTIGCC AAAGGTGTCG TGCCAGGGAG TACGGCGCCC CTGGAATTCC 1804 R587C R587R/SNP7 T596T E600K E600A
TTCACATCAC TTTCCAGTGC TTCTTTGCCG CGTTCCTACCT GGCCTCAGT 1854 H603D H603R T605P T605N A611A A612T A612V
GCTGATGTGC CACCAGCTTT GCTCAGACAC CTCTTCAATT GTGGCAGGCC 1904
AGGCAACTCA CCAATGGCCA GGCTCCTGCC CACGATGTGC ATCCAGGCCT 1954
CGGAGGGAAA GGACAGCAGC GTGGCAGCTT TGCTGCAGAA GGCCGAGCCG 2004 E667K P668L
CACAACTTC AGATCACAGC AGCCTTCTG GCAGGGCTGT TGTCCCGGGA 2054 N670K T674I F677L L682F R684W R684O
GCACTGGGGC CTGCTGGCTG AGTGCCAGAC ATCTGAGAAG GCCCTGCTCC 2104 R702W/SNP8
GGCGCCAGGC CTGTGCCCGC TGGTGTCTGG CCGCAGCCT CCGCAAGCAC 2154 R703C R713C R713H R716C
TTCCACTCCA TCCC GCCAGC TGCACCGGGT GAGGCCAAGA GCGTGCATGC 2204 A725G P727L V733L

CATGCCCGGG TTCATCTGGC TCATCCGGAG CCTGTACGAG ATGCAGGAGG 2254 [I740I](#) [R744W](#)
AGCGGCTGGC TCGGAAGGCT GCACTGGGCC TGAATGTTGG GCACCTCAAG 2304 [A755V](#) [A758V](#) [R760C](#)
TTGACATTTT GCAGTGTGGG CCCCCTGAG TGTGCTGCCC TGGCCTTTGT 2354 [E778K](#)
GCTGCAGCAC CTCGGCGGC CCGTGGCCCT GCAGCTGGAC TACAACCTCTG 2404 [R790W](#) [R791W](#) [R791Q](#) [V793M](#)
TGGGTGACAT TGGCGTGGAG CAGCTGCTGC CTTGCCTTGG TGTCTGCAAG 2454 [V802V](#) [Q809K](#) [V816I](#)
GCTCTGTATT TGCGCATAA CAATATCTCA GACCGAGGCA TCTGCAAGCT 2504 [D824N](#) [N825K](#)
CATTGAATGT GCTCTTCACT GCGAGCAATT GCAGAAGTTA GCTCTATTCA 2554 [I836T](#) [C842Y](#) [E843K](#) [A849V](#)
ACAACAAATT GACTGACGGC TGTGCACACT CCAATGGCTAA GCTCCTTGCA 2604 [N852S](#) [N853S](#) [M863V](#) [A864T](#)
TGCAGGCAGA ACTTCTTGGC ATTGAGGCTG GGGAAATAACT ACATCACTGC 2654 [F873F](#) [A885T](#) [A885P](#)
CGCGGGAGCC CAAGTGCCTGG CCGAGGGGCT CCGAGGCAAC ACCTCCTTGC 2704 [A886T](#) [R896X](#) [Q902K](#)
AGTTCCTGGG ATTCTGGGCGC AACAGAGTGG GTGACGAGGG GGCCAGGCC 2754 [W907R](#) [G908R/SNP12](#) [G908C](#) [D913D](#) [E914K](#) [A918D](#)
CTGGCTGAAG CCTTGGGTGA TCACCAGAGC TTGAGGTGGC TCAGCCTGGT 2804 [G924D](#) [V935M](#)
GGGAACAAC ATTGGCAGTG TGGGTGCCCA AGCCTTGGCA CTGATGCTGG 2854 [I939V](#) [I939I](#)
CAAAGAACGT CATGCTAGAA GAACTCTGCC TGGAGGAGAA CCAATCTCCAG 2904 [V955I](#) [H966R](#)
GATGAAGGTG TATGTTCTCT CGCAGAAGGA CTGAAGAAAA ATTCAAGTTT 2954 [E970G](#) [V972I](#) [L975V](#) [L975L](#) [G978E](#)
GAAAATCCTG AAGTTGTCCA ATAACATGCAT CACCTACCTA GGGGCAGAAG 3004 [c.2998G>A](#)
CCCTCCTGCA GGCCCTTGAA AGGAATGACA CCATCCTGGA AGTCTGGCTC 3054 [1007FS/SNP13](#)
CGAGGGAACA CTTTCTCTCT AGAGGAGGTT GACAAGCTCG GCTGCAGGGA 3104 [R1019X](#) [R1019G](#) [R1019L](#)
CACCAGACTC TTGCTTTGAA GTCTCCGGA GGATGTTTCGT CTCAGTTTGT *31 [c.*9G>A](#)
TTGTGAGCAG GCTGTGAGTT TGGGCCCCAG AGGCTGGGTG ACATGTGTTG *81
GCAGCCTCTT CAAAATGAGC CCTGTCTGTC CTAAGGCTGA ACTTGTTTTC *131
TGGGAACACC ATAGGTCACC TTTATCTGG CAGAGGAGGG AGCATCAGTG *181
CCCTCCAGGA TAGACTTTTC CCAAGCCTAC TTTTGCCATT GACTTCTTCC *231
CAAGATTCAA TCCCAGGATG TACAAGGACA GCCCTCCTC CATAGTATGG *281
GACTGGCCTC TGCTGATCCT CCCAGGCTTC CGTGTGGGTC AGTGGGGCCC *331
ATGGATGTGC TTGTTAACTG AGTGCCTTTT GGTGGAGAGG CCCGCCTCT *381 [c.3498G>A](#)
CACAAAAGAC CCCTTACCAC TGCTCTGATG AAGAGGAGTA CACAGAACAC *431
ATAATTCAGG AAGCAGCTTT CCCCATGTCT CGACTCATCC ATCCAGGCCA *481

TTCCCCGTCT CTGGTTCCTC CCCTCCTCCT GGACTCCTGC ACACGCTCCT *531
TCCTCTGAGG CTGAAATTC A GAATATTAGT GACCTCAGCT TTGATATTT *581
ACTTACAGCA CCCCCAACCC TGGCACCCAG GGTGGGAAGG GCTACACCTT *631
AGCCTGCCCT CCTTTCCGGT GTTTAAGACA TTTTGGGAAG GGGACACGTG *681
ACAGCCGTTT GTTCCCCAAG ACATTCTAGG TTTGCAAGAA AAATATGACC *731
ACACTCCAGC TGGGATCACA TGTGGACTTT TATTTCCAGT GAAATCAGTT *781
ACTCTTCAGT TAAGCCTTTG GAAACAGCTC GACTTTAAAA AGCTCCAAAT *831
GCAGCTTTAA AAAATTAATC TGGGCCAGAA TTTCAAACGG CCTCACTAGG *881 *873C>T
CTTCTGGTTG ATGCCGTGTA ACTGAACTCT GACAACAGAC TTCTGAAATA *931
GACCCACAAG AGGCAGTTCC ATTTCAATTTG TGCCAGAATG CTTTAGGATG *981
TACAGTTATG GATTGAAAGT TTACAGGAAA AAAAATTAGG CCGTTCCTTC *1031 c.3505C>T *1030T>C
AAAGCAAATG TCTTCTGGA TTATTCAAAA TGATGTATGT TGAAGCCTTT *1081
GTAAATTGTC AGATGCTGTG CAAATGTTAT TATTTTAAAC ATTATGATGT *1131
GTGAAACTG GTTAATATTT ATAGGTCACT TTGTTTTACT GTCTTAAGTT *1181
TATACTCTTA TAGACAACAT GGCCGTGAAC TTTATGCTGT AAATAATCAG *1231 c.4323A>G
AGGGGAATAA ACTGTTGAGT CAAAA

NOD2 (NM_022162.3) - cDNA - 2026-04-24

