



*TNFAIP3* (NM\_006290.4) - cDNA + Protein - 2025-04-03

GCAGTCTGCA GTCTTCGTGG CGGGCCAAGC GAGCTTGGAG CCCGCGGGGG -202  
CGGAGCGGTG AGAGCGGCCG CCAAGAGAGA TCACACCCCC AGCCGACCCT -152  
GCCAGCGAGC GAGCCCGACC CCAGGCGTCC ATGGAGCGTC GCCTCCGCCC -102  
GGTCCCTGCC CCGACCCCCG CCTGCGGCGC GTCCTGCCT TGACCAGGAC -52  
TTGGGACTTT GCGAAAGGAT CGCGGGGCCG GGAGAGGTGT TGGAGAGCAC -2  
AATGGCTGAA CAAGTCCTTC CTCAGGCTTT GTATTTGAGC AATATGCGGA 49  
MetAlaGlu GlnValLeuP roGlnAlaLe uTyrLeuSer AsnMetArgL 17

AAGCTGTGAA GATACGGGAG AGAACTCCAG AAGACATTTT TAAACCTACT 99 R22Q  
ysAlaValLy sIleArgGlu ArgThrProG luAspIlePh eLysProThr 33

AATGGGATCA TTCATCATTT TAAAACCATG CACCGATAACA CACTGGAAAT 149 R45X  
AsnGlyIleI leHisHisPh eLysThrMet HisArgTyrT hrLeuGluMe 50

G TTCAGAACT TGCCAGTTTT GTCCTCAGTT TCGGGAGATC ATCCACAAAG 199  
tPheArgThr CysGlnPheC ysProGlnPh eArgGluIle IleHisLysA 67

CCCTCATCGA CAGAAACATC CAGGCCACCC TGGAAAGCCA GAAGAAACTC 249 L83F  
laLeuIleAs pArgAsnIle GlnAlaThrL euGluSerGl nLysLysLeu 83

AAC TGGTGT C GAGAAGTCCG GAAGCTTGTG GCGCTGAAAA CGAACG GTGA 299 p.W85GfsX11 R87X K91\*  
AsnTrpCysA rgGluValAr gLysLeuVal AlaLeuLysT hrAsnGlyAs 100

CCGCAATTGC CTCATGCATG CCACTTCTCA GTACATGTGG GCGGTTTCAGG 349 [N102S](#) [T108A](#)  
 pGlyAsnCys LeuMetHisA laThrSerGl nTyrMetTrp GlyValGlnA 117

ACACAGACTT GGTACTGAGG AAGGCGCTGT TCAGCAAGCT CAAGGAAACA 399 [F127C](#) [T129M](#)  
 spThrAspLe uValLeuArg LysAlaLeuP heSerThrLe uLysGluThr 133

GACACAACGCA ACTTTAAATT CCGCTGGCAA CTGGAGTCTC TCAAATCTCA 449 [D134fs](#) [R141C](#) [c.436-437delTC](#) [K148Nfs\\*68](#)  
 AspThrArgA snPheLysPh eArgTrpGln LeuGluSerL euLysSerGl 150

GGAATTTGTT GAAACGGGGC TTTGCTATGA TACTCGGAAC TGGAAATGATG 499 [E154\\*](#) [T155M](#) [W164\\*](#)  
 nGluPheVal GluThrGlyL euCysTyrAs pThrArgAsn TrpAsnAspG 167

AATGGGACAA TCTTATCAAA ATGGCTTCCA CAGACAACCATG GCCCGA 549 [A175P](#) [T179K](#) [R183\\*](#)  
 luTrpAspAs nLeuIleLys MetAlaSerT hrAspThrPr oMetAlaArg 183

AGTGGACTTC AGTACAACCTC ACTGGAAGAA ATACACATAT TTGTCCTTTG 599 [Q187X](#) [E192K](#) [C596\\_598\\_del\\_A](#)  
 SerGlyLeuG lnTyrAsnSe rLeuGluGlu ileHisIleP heValLeuCy 200

CAACATCCTC AGAAGGCCAA TCATTGTCAT TTCAGACAAA ATGCTAAGAA 649 [L203R](#) [I207L](#) [S217R](#)  
 sAsnIleLeu ArgArgProI leIleValIl eSerAspLys MetLeuArgS 217

GTTTGGAATC AGGTTCCAAT TTCGCCCCCTT TGAAAGTGGG TGGAATTTAC 699 [p.F224Sfs\\*4](#) [P226Lfs\\*2](#) [p.L227\\*](#)  
 erLeuGluSe rGlySerAsn PheAlaProL euLysValGl yGlyIleTyr 233

TTGCCTCTCC ACTGGCCTGC CCAGGAATGC TACAGATACC CCATTGTTCT 749 [L236P](#) [C243Y](#)  
 LeuProLeuH isTrpProAl aGlnGluCys TyrArgTyrP roIleValLe 250

CGGCTATGAC AGCCATCATT TTGTACCCTT GGTGACCCTG AAGGACAGTG 799 [D253\\_F257DEL](#)  
 uGlyTyrAsp SerHisHisP heValProLe uValThrLeu LysAspSerG 267

GGCCTGAAAT CCGAGCTGTT CCACTTGTTA ACAGAGACCG GGAAGATTT 849 [p.P268Lfs\\*19](#) [p.R271\\*](#) [P274Hfs](#) [L275P](#)  
 lyProGluIl eArgAlaVal ProLeuValA snArgAspAr gGlyArgPhe 283

GAAGACTTAA AAGTTCACTT TTTGACAGAT CCTGAAAATG AGATGAAGGA 899 [T292P](#)  
 GluAspLeuL ysValHisPh eLeuThrAsp ProGluAsnG luMetLysGl 300

GAAGCTCTTA AAAGAGTACT TAATGGTGAT AGAAATCCCC GTCCAAGGCT 949 [p.L303fs](#) [p.Y306\\*](#) [V309dup](#) [I310T](#)  
 uLysLeuLeu LysGluTyrL euMetValIl eGluIlePro ValGlnGlyT 317

GGGACCATGG CACAACTCAT CTCATCAATG CCGCAAAGTT GGATGAAGCT 999 [p.\(L324Ofs\\*7\)](#) [Exon7-8deletion](#) [E32\\*](#) [A333fs2](#)  
 rpAspHisGl yThrThrHis LeuIleAsnA laAlaLysLe uAspGluAla 333

AACTTACCAA AAGAAATCAA TCTGGTAGAT GATTACTTTG AACTTGTTCA 1049 [P336fs](#) [E338\\*](#)  
 AsnLeuProL ysGluIleAs nLeuValAsp AspTyrPheG luLeuValGl 350

GCATGAGTAC AAGAAATGGC AGGAAAACAG CGAGCAGGGG AGGAGAGAGG 1099 [W356R](#)  
 nHisGluTyr LysLysTrpG lnGluAsnSe rGluGlnGly ArgArgGluG 367

GGCACGCCCA GAATCCCATG GAACCTTCCG TGCCCCAGCT TTCTCTCATG 1149 [Q370Rfs\\*16](#) [p.\(N371Sfs\\*17\)](#)  
 lyHisAlaGl nAsnProMet GluProSerV alProGlnLe uSerLeuMet 383

GATGTAAAAT GTGAAACGCC CAACTGCCCC TTCTTCATGT CTGTGAACAC 1199 [D384G](#)  
 AspValLysC ysGluThrPr oAsnCysPro PhePheMetS erValAsnTh 400

CCAGCCTTTA TGCCATGAGT GCTCAGAGAG GCGGCAAAAG AATCAAAACA 1249 [Q415fs](#)

rGlnProLeu CysHisGluC ysSerGluAr gArgGlnLys AsnGlnAsnL 417

[AACTCCCAA](#) [GCTGAACTCC](#) [AAGCCGGGCC](#) [CTGAGGGGCT](#) [CCCTGGCATG](#) 1299

ysLeuProLy sLeuAsnSer LysProGlyP roGluGlyLe uProGlyMet 433

[GCGCTCGGGG](#) [CCTCTCGGGG](#) [AGAAGCCTAT](#) [GAGCCCTTGG](#) [CGTGGAACCC](#) 1349 [A434\\*](#) [A434V](#) [c.1316\\_1317del](#) [W448C](#) [N449Tfs\\*28](#)

AlaLeuGlyA laSerArgGl yGluAlaTyr GluProLeuA laTrpAsnPr 450

[TGAGGAGTCC](#) [ACTGGGGGGC](#) [CTCATTCGGC](#) [CCCACCGACA](#) [GCACCCAGCC](#) 1399 [P457Afs\\*16](#)

oGluGluSer ThrGlyGlyP roHisSerAl aProProThr AlaProSerP 467

[CTTTTCTGTT](#) [CAGTGAGACC](#) [ACTGCCATGA](#) [AGTG\\_CAGGAG](#) [CCCCGGCTGC](#) 1449 [M476I](#) [C478\\*](#)

roPheLeuPh eSerGluThr ThrAlaMetL ysCysArgSe rProGlyCys 483

[CCCTTCACAC](#) [TGAATGTGCA](#) [GCACAACGGA](#) [TTTTGTGAAC](#) [GTTGCCACAA](#) 1499 [V489Afs\\*7](#)

ProPheThrL euAsnValGl nHisAsnGly PheCysGluA rgCysHisAs 500

[CGCCCGGCAA](#) [CTTCACGCCA](#) [GCCACGCCCC](#) [AGACCACACA](#) [AGGCACTTGG](#) 1549 [A501Ffs\\*193](#) [R502W](#) [Q503\\*](#)

nAlaArgGln LeuHisAlaS erHisAlaPr oAspHisThr ArgHisLeuA 517

[ATCCCGGAA](#) [GTCCAAGCC](#) [TGCCTCCAGG](#) [ATGTTACCAG](#) [GACATTTAAT](#) 1599 [L525V](#)

spProGlyLy sCysGlnAla CysLeuGlnA spValThrAr gThrPheAsn 533

[GGGATCTGCA](#) [GTACTTGCTT](#) [CAAAGGACT](#) [ACAGCAGAGG](#) [CCTCCTCCAG](#) 1649 [A547T](#)

GlyIleCysS erThrCysPh eLysArgThr ThrAlaGluA laSerSerSe 550

[CCTCAGCACC](#) [AGCCTCCCTC](#) [CTTCCTGTCA](#) [CCAGCGTTCC](#) [AAGTCAGATC](#) 1699

rLeuSerThr SerLeuProP roSerCysHi sGlnArgSer LysSerAspP 567

CCTCGCGGCT CGTCCGGAGC CCCTCCCCGC ATTCTTGCCA CAGAGCTGGA 1749 [H577Afs\\*95](#)  
roSerArgLe uValArgSer ProSerProH isSerCysHi sArgAlaGly 583

AACGACGCCC CTGCTGGCTG CCTGTCTCAA GCTGCACGGA CTCCTGGGGA 1799 [A588Vfs\\*80](#) [Q593X](#)  
AsnAspAlaP roAlaGlyCy sLeuSerGln AlaAlaArgT hrProGlyAs 600

CAGGACGGGG ACGAGCAAGT GCAGAAAAGC CGGCTGCGTG TATTTTGGGA 1849 [T602S](#) [G603R](#) [p.T604Rfs\\*93](#)  
pArgThrGly ThrSerLysC ysArgLysAl aGlyCysVal TyrPheGlyT 617

CTCCAGAAAA CAAGGGCTTT TGCACACTGT GTTTCATCGA GTACAGAGAA 1899  
hrProGluAs nLysGlyPhe CysThrLeuC ysPheIleGl uTyrArgGlu 633

AACAAACATT TTGCTGCTGC CTCAGGGAAA GTCAGTCCCA CAGCGTCCAG 1949 [p.His636fsTer1](#) [T647P](#)  
AsnLysHisP heAlaAlaAl aSerGlyLys ValSerProT hrAlaSerAr 650

GTTCCAGAAC ACCATTCCGT GCCTGGGGAG GGAATGCGGC ACCCTTGGAA 1999  
gPheGlnAsn ThrIleProC ysLeuGlyAr gGluCysGly ThrLeuGlyS 667

GCACCATGTT TGAAGGATAC TGCCAGAAGT GTTTCATTGGA AGCTCAGAAT 2049 [I679T](#)  
erThrMetPh eGluGlyTyr CysGlnLysC ysPheIleGl uAlaGlnAsn 683

CAGAGATTTT ATGAGGCCAA AAGGACAGAA GAGCAACTGA GATCGAGCCA 2099  
GlnArgPheH isGluAlaLy sArgThrGlu GluGlnLeuA rgSerSerGl 700

GCGCAGAGAT GTGCCTCGAA CCACACAAAG CACCTCAAGG CCCAAGTGCG 2149 [Q709R](#)  
nArgArgAsp ValProArgT hrThrGlnSe rThrSerArg ProLysCysA 717

CCCGGGCCTC CTGCAAGAAC ATCCIGGCCT GCCGCAGCGA GGAGCTCTGC 2199 L725P

laArgAlaSe rCysLysAsn IleLeuAlaC ysArgSerGl uGluLeuCys 733

ATGGAGTGTC AGCATCCCAA CCAGAGGATG GGCCCTGGGG CCCACCGGGG 2249 Q737Sfs\*79

MetGluCysG lnHisProAs nGlnArgMet GlyProGlyA laHisArgGl 750

TGAGCCTGCC CCCGAAGACC CCCCCAAGCA GCGTTGCCGG GCCCCCGCCT 2299

yGluProAla ProGluAspP roProLysGl nArgCysArg AlaProAlaC 767

GTGATCATT TGGCAATGCC AAGTGCAACG GCTACTGCAA CGAATGCTTT 2349

ysAspHisPh eGlyAsnAla LysCysAsnG lyTyrCysAs nGluCysPhe 783

CAGTTCAAGC AGATGTATGG CTAAACCGAA ACAGGTGGGT CACCTCCTGC \*26 K786T

GlnPheLysG lnMetTyrGl yStop

AAGAAGTGGG GCCTCGAGCT GTCAGTCATC ATGGTGCTAT CCTCTGAACC \*76

CCTCAGCTGC CACTGCAACA GTGGGCTTAA GGGTGTCTGA GCAGGAGAGG \*126

AAAGATAAGC TCTTCGTGGT GCCCACGATG CTCAGGTTTG GTAACCCGGG \*176

AGTGTTCCCA GGTGGCCTTA GAAAGCAAAG CTTGTAAGT GCAAGGGATG \*226

ATGTCAGATT CAGCCCAAGG TTCTCCTCT CCTACCAAGC AGGAGGCCAG \*276

GAACTTCTTT GGACTTGGA GGTGTGCGGG GACTGGCCGA GGCCCTGCA \*326

CCCTGCGCAT CAGGACTGCT TCATCGTCTT GGCTGAGAAA GGGAAAAGAC \*376

ACACAAGTCG CGTGGGTGG AGAAGCCAGA GCCATTCCAC CTCCCCCTCC \*426

CCAGCATCTC TCAGAGATGT GAAGCCAGAT CCTCATGGCA GCGAGGCCCT \*476

CTGCAAGAAG CTCAAGGAAG CTCAGGGAAA ATGGACGTAT TCAGAGAGTG \*526

TTTGTAGTTC ATGGTTTTTC CCTACCTGCC CGGTTCTTT CCTGAGGACC \*576

CGGCAGAAAT GCAGAACCAT CCATGGACTG TGATTCTGAG GCTGCTGAGA \*626

CTGAACATGT TCACATTGAC AGAAAAACAA GCTGCTCTTT ATAATATGCA \*676

CCTTTTAAAA AATTAGAATA TTTTACTGGG AAGACGTGTA ACTCTTTGGG \*726  
TTATTACTGT CTTTACTTCT AAAGAAGTTA GCTTGAAC TG AGGAGTAAAA \*776  
GTGTGTACAT ATATAATATA CCCTTACATT ATGTATGAGG GATTTTTTTTA \*826  
AATTATATTG AAATGCTGCC CTAGAAGTAC AATAGGAAGG CTAAATAATA \*876  
ATAACCTGTT TTCTGGTTGT TGTGGGGCA TGAGCTTGTG TATACACTGC \*926  
TTGCATAAAC TCAACCAGCT GCCTTTTTTAA AGGGAGCTCT AGTCCTTTTT \*976  
GTGTAATTCA CTTTATTTAT TTTATTACAA ACTTCAAGAT TATTTAAGTG \*1026  
AAGATATTTT CTTAGCTCTG GGGAAAATGC CACAGTGTTT TCCTGAGAGA \*1076  
ACATCCTTGC TTTGAGTCAG GCTGTGGGCA AGTTCCTGAC CACAGGGAGT \*1126  
AAATTGGCCT CTTTGATACA CTTTTGCTTG CCTCCCCAGG AAAGAAGGAA \*1176  
TTGCATCCAA GGTATACATA CATATTCATC GATGTTTCGT GCTTCTCCTT \*1226  
ATGAACTCC AGCTATGTAA TAAAAACTA TACTCTGTGT TCTGTTAATG \*1276  
CCTCTGAGTG TCCTACCTCC TTGGAGATGA GATAGGGAAG GAGCAGGGAT \*1326  
GAGACTGGCA ATGGTCACAG GGAAAGATGT GGCCTTTTGT GATGGTTTTA \*1376  
TTTTCTGTTA AACTGTGTC CTGGGGGGG TGGGAAGTCC CCTGCATCCC \*1426  
ATGGTACCCT GGTATGGGA CAGCAAAAGC CAGTAACCAT GAGTATGAGG \*1476  
AAATCTCTTT CTGTTGCTGG CTTACAGTTT CTCTGTGTGC TTTGTGGTTG \*1526  
CTGTCATATT TGCTCTAGAA GAAAAAAAAA AAAGGAGGGG AAATGCATTT \*1576  
TCCCAGAGA TAAAGGCTGC CTTTTGGGG GTCTGTACTT ATGGCCTGAA \*1626  
AATATTTGTG ATCCATAACT CTACACAGCC TTTACTCATA CTATTAGGCA \*1676  
CACTTTCCCC TTAGAGCCCC CTAAGTTTTT CCCAGACGAA TCTTTATAAT \*1726  
TTCTTTCCAA AGATACCAA TAACTTCAG TGTTTTCATC TAATCTCTT \*1776  
AAAGTTGATA TCTTAATATT TTGTGTTGAT CATTATTTCC ATTCTTAATG \*1826  
TGAAAAAAG TAATTATTTA TACTTATTAT AAAAAGTATT TGAAATTTGC \*1876  
ACATTTAATT GTCCCTAATA GAAAGCCACC TATTCTTTGT TGGATTTCTT \*1926  
CAAGTTTTTC TAAATAAATG TAACTTTTCA CAAGAGTCAA CATTAAAAAA \*1976  
TAAATTATTT AAGAACA

*TNFAIP3* (NM\_006290.4) - cDNA + Protein - 2025-04-03

