



MEFV (NM_000243.3) - cDNA - 2026-06-27

CTACCAGAAG CCAGACAGCT GGCTCGAGCC TCTCCTGTCTC AGCACCATGG 4 [chr16:g.3292027_3306633dup](#) [chr16:g.3242027_3256633del](#) [-12C>G](#)

CTAAGACCCC TAGTGACCAT CTGCTGTCCA CCCTGGAGGA GCTGGTGCCC 54 [L9L](#) [T12I](#)

TATGACTTCG AGAAGTTCA GTTCAAGCTG CAGAACACCA GTGTGCAGA 104 [Y19C](#) [K25R](#) [L28V](#) [Q34P](#) [K35R](#)

GGAGCACTCC AGGATCCCC GGAGCCAGAT CCAGAGAGCC AGGCCGGTGA 154 [R39G](#) [R42W](#) [P50L](#)

AGATGGCCAC TCTGCTGGTC ACCTACTATG GGGAAGATA CGCCGTGCAG 204 [A56S](#) [L57L](#) [Y61C](#) [G62W](#) [p.\(Glu64_Tyr65delinsAspPhe\)](#) [Y65Y](#) [V67E](#)

CTCACCCCTGC AGGTCCCTGC GGCCATCAAC CAGCGCCTGC TGGCCGAGGA 254 [R75Q](#) [E84K](#)

GCTCCACAGG GCAGCCATTC AGGAATATTC CACAACAAGAA AACGGCACAG 304 [H87R](#) [A89T](#) [Q97K](#) [Q97X](#) [Q97R](#) [N99N](#)

ATGATTCCGC AGCGTCCAGC TCCC TGGGGG AGAACAAGCC CAGGAGCCTG 354 [D102D](#) [D103D](#) [S104C](#) [A105E](#) [S108R](#) [S108G](#) [L110P](#) [L110L](#) [G111R](#) [G111E](#) [G111G](#) [334_335insG](#) [P115T](#)
[P115R](#) [R116S](#)

AAGACTCCAG ACCA CCCCGA GGGGAACGAG GGGAA CGGCC CTCGGCCGTA 404 [T120I](#) [H123Q](#) [P124P](#) [E125E](#) [E128_N130del](#) [390_391insGAGGGGAAC](#) [N130N](#) [Y135H](#)

CGGGGGCGGA GCTGCCAGCC TGCGGTGCAG CCAGCCCGAG GCCGGGAGGG 454 [G136R](#) [G136W](#) [G136E](#) [G136G](#) [G138G](#) [S141I](#) [R143P](#) [S145G](#) [E148RfsX5](#) [E148Q](#) [E148V](#) [E148D](#) [G150G](#)
[R151S](#) [G152R](#)

GGCTGTTCGAG GAAGCCCCTG AGCAAACGCA GAGAGAAGGC CTCGGAGGGC 504 [S154P](#) [R155T](#) [S159N](#) [E163A](#) [E163D](#) [A165T](#) [A165A](#) [S166L](#) [S166S](#) [E167D](#)

CTGGACGCGC AGGGCAAGCC TCGGA CCGCG AGCCCGGCC TGCCGGGCGG 554 [L169V](#) [Q172P](#) [P175H](#) [T177I](#) [S179I](#) [S179N](#) [P180R](#) [P180P](#) [P183T](#) [P183P](#)

GAGAAGCCCC GGCCCCTGCA GGGCGCTAGA GGGGGGCCAG GCCGAGGTCC 604 [S187N](#) [P188P](#) [A193V](#) [L194P](#) [E195E](#) [G196W](#) [G196R](#) [G197R](#)

GGCTGCAGCAG AAACGCCAGC TCCGCGGGGA GGCTGCAGGG GCTGGCGGGG 654 [R202Q](#) [L203P](#) [R204H](#) [N206S](#) [N206K](#) [606_621dup](#) [S208C](#) [S208T](#) [S209S](#) [G211G](#) [G218A](#)

GGCGCCCCGG GGCAGAAGGA GTGCAGGCC TTCGAAGTGT ACCTGCCCTC 704 [G219G](#) [P221P](#) [G222R](#) [K224del](#) [E225G](#) [E225D](#) [E230K](#) [E230Q](#) [Y232H](#) [c.698_700dupTGC](#) [P234P](#) [S235L](#)

GGGAAAGATG CGACCTAGAA GCCTTGAGGT CACCA TTTCT ACAGGGGAGA 754 [G236V](#) [M238I](#) [p.Arg239Leu](#) [R239R](#) [R241K](#) [S242G](#) [S242S](#) [S242R_C>G](#) [S242R_C>A](#) [E244K](#) [I247V](#) [T249A](#)

[G250A](#) [E251K](#)

AGGCGCCCGC AAATCCAGAA ATTCTCTCTGA CTCTAGAGGA AAAGACAGCT 804 [761_764dup](#) [P257L](#) [I259V](#) [K266E](#) [T267I](#) [A268V](#)

GCGAATCTGG ACTCGGCAAC AGAA CCCC GG GCAAGGCCCA CTCCGGATGG 854 [N270D](#) [S273L](#) [P277T](#) [R278P](#) [P283R](#) [P283L](#)

AGGGGCATCT GCGGACCTGA AGGAAGGCC TGGAAATCCA GAACATTCGG 904 S288Y A289V A289E E299G
TCACCGGAAG GCCACCAGAC ACGGCTGCGA GTCGCCCGCTG CCACGCCAG 954 G304R P307P T309M P313H R314C R314H R314R A317T
GAAGGAGACC CAGTTGACGG TACCTGTGTG CGTGATTCCCT GCAGCTTCCC 1004 E319K V328A R329H
CGAGGCAGTT TCTGGGCACC CCCAGGCCTC AGGCAGCCGC TCACTTGGCT 1054 E336K V338L S339F R348H P350S P350R
GCCCCCGGTG CCAGGACTCC CATGAAAGGA AGAGCCCGGG AAGCCTAAGC 1104 C352C P353A R354W Q356R R361T S363N S363S P364L P364P L367V
CCCCAGCCCC TGCCACAGTG TAAGCGCCAC CTGAAGCAGG TCCAGCTGCT 1154 P369S L372P P373L K376R Q383K L384P
CTTCTGTGAG GATCACGATG AGCCCATCTG CCTCATCTGC AGTCTGAGTC 1204 D389V D391N P393P L396F
AGGAGCACCA AGGCCACCGG GTGCGCCCCA TTGAGGAGGT CGCCCTGGAA 1254 E403K H404R R408Q c.1229G>A V415V E418*
CACAGAAGA AAATTCAGAA GCAGCTGGAG CATCTGAAGA AGCTGAGAAA 1304 I423V I423T Q426R
ATCAGGGGAG GAGCAGCGAT CCTATGGGGA GGAGAAGGCA GTGAGCTTTC 1354 Q440E S442T K447M
TGAAACAAAC TGAAGCGCTG AAGCAGCGGG TGCAGAGGAA GCTGGAGCAG 1404 E456D A457V A457A R461Q Q468Q
GTGTACTACT TCCTGGAGCA GCAAGAGCAT TTCTTTGTGG CCTCACTGGA 1454 V469L Y471X E474K E474E Q476Q H478Y F479L L484M
GGACGTGGGC CAGATGGTTG GGCAGATCAG GAAGGCATAT GACACC CGCG 1504 V487M V487L Q489Q R495K R501G R501C R501H R501R
TATCCAGGA CATCGCCCTG CTCGATGCGC TGATTTGGGA ACTGGAGGCC 1554 S503C D505G I506V I506I A507T L508Q D510N D510D A511V A511E I513T G514E
AAGGAGTGCC AGTCAGAATG GGAACCTCTG CAGGACATTG GAGACATCTT 1604 E520V
GCACAGGGCT AAGACAGTGC CTGTCCCTGA AAAGTGGACC ACTCCTCAAG 1654 K539N P550A p.Q551P
AGATAAAACA AAAGATCCAA CTCCCTCCACC AGAAGTCAGA GTTTGTGGAG 1704 E552D L559F
AAGAGCAA CA AGTACTTCTC AGAAACCCCTG CGTTCAGAAA TGGAAATGTT 1754 T571I T577SAT T577A T577N T577SCG T577I M582L E583A
CAATGTTCCG GAGCTGATTG GCGCTCAGGC ACATGCTGTT AATGTGATTC 1804 P588P I591T I591M G592G A595V c.1792G>A N599D
TGGATGCAGA AACCGCTTAC CCCAACCTCA TCTTCTCTGA TGATCTGAAG 1854 L602L T606T P609P N610D
AGTGTTAGAC TTGGAACAA GTGGGAGAGG CTGCCTGATG GCCCGCAAAG 1904 W626R R628K P630AfsX2 G632S G632A P633L
ATTTGACAGC TGTATCATTG TTCTGGGCTC TCCGAGTTTC CTCTCTGGCC 1954 F636Y D637G I640M I641F V642A P646L P646P L649F L649P S650Y G651S R652C
GCGCTTACTG GGAGGTGGAG GTTGGAGACA AGACAGCATG GATCCTGGGA 2004 R652H R652R R653S R653H E656A V659F D661N D661Y K662Dfs*36 I666V G668R
GCCTGCAAGA CATCCATAAG CAGGAAAGGG AACATGACTC TGTCGCCAGA 2054 K671M S675N G678R G678E N679H M680L M680V M680IGC M680IGA M680IGT T681I S683S E685K
GAATGGCTAC TGGGTGGTGA TAATGATGAA GAAAAATGAG TACCAGGCCT 2104 G687D Y688C Y688F Y688X V690L V690G V691G V691A I692DEL M693K M693I M694V M694L
M694DEL M694K M694I K695R K695M K695N E698D A701A
CCAGCGTTC CCCGACCCGC CTGCTAATAA AGGAGCCTCC CAAGCGTGTG 2154 S702C S703S V704I P705S P706P R708C L709R I711M R717S R717H R717L
GGCATCTTCG TGACCTACAG AGTTGGAAGC ATCTCCTTTT ACAATGTGAC 2204 I720M F721L F721F V722M D723D V726A I729V I729M S730C N733D N733S

AGCCAGATCC CACATCTATA CATTCGCCAG CTGCTCTTTC TCTGGGCCCC 2254 R737K F743Y F743L F743F A744S A744T A744D S747C S749C
TTCAACCTAT CTTCAGCCCCT GGGACACGTG ATGGAGGGAA GAACACAGCT 2304 Q753Q Q753H P754R I755V P758S R761C R761H G764G N766H
CCTCTGACTA TCTGTCCAGT GGGTGTCAG GGGCCTGACT GAATGCCCAA *8 P769A I772Y Q778Sfs*4 Q778L G779G P780T
CACTGCATCT CTCTTCCCTGC TTCTGGCCTT GTATCTTGCA TTCACACTCA *58 *9C>T *12T>C *21C>G
ATAGTCACGG AATGCCGACT AGGTGCTAGC TGCTATGGGA AATGCAAAAA *108
TAACAAAATA GTTACTGTGC CCACGGAGCC TACCCGATTA TAGCAGAGGT *158 c.*133G>A
AAGTTAGGAA CGAACATGTT AGTCAATCCG GGTGAAGACA TGTATGATG *208
ACACACCATG GATTTCAGAG GAGGAAGTAC GGAGTCGTTG CATAATCCGC *258 c.*245G>A
CCCTGGTGGG TGGCACTCTC AGGTGCTCCT GAACAGAAGA TTTGGCCCTC *308 c.*267G>A
ATTTTCCCTC AGAACCCAC GGCAAGGATA TATGTCCCCT TGTTCTCTCT *358
GCTTCTGTCT TGAGGATATG GGAAGCCTAG AGAAACGCAA GCAGACTGGA *408
TTGGGATAGA AGTATTTGTG TACCTGGATT AATGAACTAT GATTTTTTTTT *458
TTTTTTTTTT GAGACCAAAT CTTGCTCTGT GGCCAGGCT GGAGTGCAGT *508
GGCAGATCT CAGCTACTG CAACCTCCAC CTCCAGGTT CAAGCGATC *558
TCCTGCCTCA GCCTCCTGAG CAGCTGGGAT TACAGGTGCG TGCCACCACA *608
CCAGGCTGGT TTTCTTGTAT TTTTAGTAGA GACGGGGGTT TCACCATGTT *658
AGCCAGGCTG GTCTCGAACT CCTGACCTCA GGTGATCCAC CCGCCTCAGC *708
CTCCCAAAGT GCTGGGATTA CAGGCATGAG CCACTGTGCC CGGCCTATGA *758
TTCTTTTTTT TTTTTTTTTT TGAGACAAAG TTTTGCTCTT GTCACCCAGG *808
CTGGAGTGCA GTGGTGCAAT CTTGGCTCGC AACCTCCGCC TCCCAGGTTT *858
AAGAGATTCT CCTGCCTCAG CCTCCGAAGT AGCTGGGATT ACAGGCGCCC *908
GCCACCATGC CCGGCTAATT TTTTGCATTT TTAGTAGACA TGAGGTTTCA *958
TCATGTTGGC CAGGCCGGTC TCAAACCTCT GACCTCAGGT GATGCACCCA *1008
CCTCAGCCTC CCAAAGTGCA GGGATTACAG GCATGAGCCA CCATGCCGGG *1058
CCATGATTCT TAAGAGAATT GACTGGGCCT CATGAATAAA AAAATTAGAA *1108
AATCTG

MEFV (NM_000243.3) - cDNA - 2026-06-27

