

PSMA5 (NM_002790.4) - cDNA - 2026-11-14

```
AGTTGGTCCT TAGTACTGCG GCCGTGTGGG TGAGTTGGCT GCCGGTGAGT -69
TGGGTGCCGG TGGAGTCGTG TTGGTCCTCA GAATCCCCGC GTAGCCGCTG -19
CCTCCTCCTA CCCTCGCCAT GTTTCTTACC CGGTCTGAGT ACGACAGGGG 32
CGTGAATACT TTTTCTCCCG AAGGAAGATT ATTTCAAGTG GAATATGCCA 82
TTGAGGCTAT CAAGCTTGGT TCTACAGCCA TTGGGATCCA GACATCAGAG 132
GGTGTGTGCC TAGCTGTGGA GAAGAGAATT ACTTCCCCAC TGATGGAGCC 182
CAGCAGCATT GAGAAAATTG TAGAGATTGA TGCTCACATA GGTTGTGCCA 232
TGAGTGGGCT AATTGCTGAT GCTAAGACTT TAATTGATAA AGCCAGAGTG 282
GAGACACAGA ACCACTGGTT CACCTACAAT GAGACAATGA CAGTGGAGAG 332
TGTGACCCAA GCTGTGTCCA ATCTGGCTTT GCAGTTTGGA GAAGAAGATG 382
CAGATCCAGG TGCCATGTCT CGTCCCTTTG GAGTAGCATT ATTATTTGGA 432
GGAGTTGATG AGAAAGGACC CCAGCTGTTT CATATGGACC CATCTGGGAC 482
CTTTGTACAG TGTGATGCTC GAGCAATTGG CTCTGCTTCA GAGGGTGCCC 532  p.Arg168*
AGAGCTCCTT GCAAGAAGTT TACCACAAGT CTATGACTTT GAAAGAAGCC 582
ATCAAGTCTT CACTCATCAT CCTCAAACAA GTAATGGAGG AGAAGCTGAA 632
TGCAACAAAC ATTGAGCTAG CCACAGTGCA GCCTGGCCAG AATTTCCACA 682
TGTTCACAAA GGAAGAACTT GAAGAGGTTA TCAAGGACAT TTAAGGAATC *6
CTGATCCTCA GAACTTCTCT GGGACAATTT CAGTTCTAAT AATGTCCTTA *56
AATTTTATTT CCAGCTCCTG TTCCTTGGAA AATCTCCATT GTATGTGCAT *106
TTTTTAAATG ATGTCTGTAC ATAAAGGCAG TTCTGAAATA AAGAAAATTT *156
TAAAATATTT GTTAATAGAC TGTTCTCTTC TAATAGTCTT TTTTTTTTTT *206
TTTTTTTTAA GAGATGAGGT CTCACTATAT TGCCCAGGCT GGTTTCAAAC *256
TCCTGGGTTC AAGTGATCTT CCCGCCTCTG CCTCCTGAAG TGCTAGGATT *306
ATAGGCGAGA GCCACTGTGC CCAGCCATTG TAATACAGTC TTTTGTTTGA *356
AATGCAAATG TTAGTGGGCC AAAAGGACAG TGTTATTAAT ATCCCTATTC *406
TATGAAGATG TCTGTTCTAA AACTGTTTTA GTGATGCTCT ATAACAGAAT *456
CAACTATATC CATTAATCCC ATGGTGTTGA TAAATGAACT AGTCCAGCTC *506
TTCCCAGTGG TTAATAGATG TTAACAGCAC TGTAAATCCA TTTCGGCCCT *556
ATAATTTCTG GAGCAAACGT GTATTTTTGC TGCTTTTCTT ATAAGGAGAT *606
GCTACTAATT GACTATCAGA AGAACATGTT TTGAGGTCCT CCTCAAAACA *656
TTGATGGGTT GGAATCAGCC ATCAACAGTG TTGTACCAGT TCTTGGGTCT *706
TGATAGACAA TTTGGAAAGA GATTTCCTTG TTTACGAAGT GAAGGACTAA *756
GAATTAAATT AATGACCTTG GCCTCACTGG CAATCAATTA CAAATCTCTA *806
TATCAGTAAG AGAATTGTAA AATTCAGAAG CAGTTTACAT TAGACTTTGG *856
AATGAATGAT GAACTTTCCC CATTAGAGCT GCCATCATAT GATTGGTGGA *906
GATTGTTTAA AGAATCATTC TATCTCAGCC TCAAAAATTA CCACGGGAAG *956
ATGGTATCAG TATCACTACT TAACAGATGA AGAATCTAAT GCTGTGTGCC *1006
CATGGACACA CAAAATTAAG CTGTTGGGAC TTGAACAGCT CAAATTTTCT *1056
TGTTTCAGAT CACCAGCTCT TGAGTAATAG GGAAATCTGG AGATTTGAAA *1106
AGTACTTGCA CTGTCCACAA CATGGCTAAT CCATATGTGG ATGATGCAGA *1156
```

ATTGATTTAA TTCACTAACA GGGACCCCAT AATTATTTGC TGGGCTCTGG *1206

GTATATTGAT GTGTAGGAAG TTGTACTATA TGTTAATAAA TTATGACTAT *1256

TTGGATAGGC TGAATTCATA CTAAATCCAT ACTGTAGTTC AACAAAAAAC *1306

AACATGTTTA TATACATTTG GAAACTGCAA TGATAGGAAA CATTTGGAAG *1356

AAAGGGATTT TGCCCTAGAA TAACACATAA GGAAAGCAGA GAATTAGAGT *1406

ATATTGTTAC TGAATGTTCC AGAGACTTCT AGTGATTTTA ACACTTATTA *1456

AGTATAGCAT GTTGATGGGG AGATTTGTTT CTCTAAAGAT CACTTTGTTT *1506

TATTAAATCC TAATAGAAAA TACCCTTGAA AATCCTATCT CATTTATTCC *1556

TGTAACAAAT TTATTGAGCA CCTACCTACT ATATGCCAAG AAATGTATTA *1606

GCCATCAGGC AGAGAGCTGT TCAAATGGTA GATATGATCT GTGCTCCTGT *1656

GAAACTTCTA GTGGGGAGAG CCAAACAATA AACAATATTC CTTTTTAACT *1706

CTAGGTTAAT GCAGAAATGG ATAAAGCCCA TGTTGCTTTT GGGAGAGGTG *1756

AGTTGTGTCT CTGAATCACA TGCATTTCAT AGGGGGAAAA ATGCCCAAAT *1806

ACTAAGGAGT AGCTCTTAGC CTATGTCCGT TCGCCTCAGC TTAAGTTGTT *1856

TTCCCTCCCA CTGGCTGGGC AGCATATTTG TGTTTTACCT GGTAAAACAG *1906

TAAATTTCGT ACCTTCTATA ATTGGCATTC TTCAAAGAGG TAGAACTTTG *1956

ATTTTTTTGT AGAATATTAA AACAAGCTTT CTTAGGTTAA AGAAGTGATC *2006

TTACTACGAA CAGCAATGGT TTCATGATGT GTAATTGCTT TATGTTATCT *2056

TTCTGCTATA GAATGTTTCC TGGAGAAAGG TACGGTTTTT AGTAATAAGA *2106

TAAATTTACT TTAGTCCTGC AAATAAGGTG AAATCTTATG TCCAGTATCT *2156

CACAAAGGAG AACTGACAGT GCCACTTTTA TATTTAATGT CAATCTCATT *2206

AGACAAAAAT GAAATATAGT TCCTAGGGTT TCCAATTTAA AAAGTGAAAT *2256

AATAAATATA TTCACTCAAA CATTTTCTCA GTGCCATATG CAAGTTACCA *2306

TGTCCCAGAA GCTGATACAG TTTGAAGAAG GAAATATATA AGTACTGTAA *2356

GCCTGTGATA ACTAAAAGCA ACATACTAAA AAGTGAAGGT ACAGATAATT *2406

GGAACAAATT TAATAGCGTT TAAAAGTGTA TTTGGTAATT TCTCCAGGAG *2456

GTGGCACTGT TGAGTTGTTT TTTCTTTTCA GACAGTAAGA CAATAGACCA *2506

TTCATCTTTG TGTCACCCAA ACAAAGAAAT ATTCCTTTAT AACCCCCTTT *2556

CCTCCCCCCA CCTAATCACA TGCTACTGGA ACTGACTGTC TTGTGATCTA *2606

CTCCCATAGT TGGCATAGAT TTAAAAATAA TCTTTTTTAA ATTAATCTGA *2656

TAGTAGTTAT GGAAAGGAAC AAATTGTTCA CCAATTTTCA TCAGCTTTAT *2706

CTTTTCAGTC CAGTAACTGA GAACTTAAAA AGACTATTCT AGTGATTTTA *2756

CTATCCTGCT CAGATGGCAT TCAAAAACAT TTTTCACTTC TCACGTCTTG *2806

GAAAAATTTG TAAATTCGTT AAGTCTTTTT GTTTGAAAGT TAATGTGACT *2856

GGAAATATTT TAATGTAAAT ATCGGGTTGG GTGCATTGTA TCATTTTGCT *2906

CTACAATGAC TATATCCTCA TTTGGGTTTA TGGCCAGTTT ATAATTAAAA *2956

GTAATCTTTA CTTGC

PSMA5 (NM_002790.4) - cDNA - 2026-11-14

